



## 师资队伍

院士

植物病理教研室

农业昆虫与害虫防治教研室

菌物科学与工程教研室

农药学教研室

食药菌教育部工程研究中心

现代化研究所科研系列

教学实验中心实验员系列

学院办公室、学生工作办公室

## 食药菌教育部工程研究中心

位置: 首页 - 师资队伍

### 亓宝

发布时间: 2019-07-21 18:40:19 点击: 1655

姓名: 亓宝

性别: 男

毕业院校: 东北师范大学

最高学位: 博士

职称: 副研究员

办公地址: 长春市新城大街2888号吉林农业大学

办公电话: 15943063052

电子邮箱: qibao3712@163.com



#### 个人简介:

#### 学习经历:

2000.09-2004.07: 西北农林科技大学, 本科学生, 获得理学学士学位

2004.09-2010.12: 东北师范大学, 博士研究生, 获得遗传学博士学位

#### 工作经历

2011.01-2012.09 中国科学院遗传与发育生物学研究所, 博士后

2011.12- 吉林农业大学食药菌教育部工程研究中心

#### 研究方向:

菌物基因组进化

黏菌与细菌的互作

#### 科研项目:

1. 环保部生物多样性保护重大工程专项, 重点大型真菌现状与保护成效评估子课题金耳调查与保护成效评估, 2019.07-2020.12, 6万元, 在研, 主持

2. 环保部生物多样性保护重大工程专项, 重点大型真菌现状与保护成效评估子课题斑玉蕈、干巴菌调查与保护成效评估, 2019.07-2020.12, 60万元, 结题, 主持

3. 吉林省科技发展计划项目自然科学基金项目面上项目 (20190201197JC), 基于扩增子测序的长白山黏菌多样性研究, 2019.01-2021.12, 在研, 主持

4. 吉林农业大学拔尖人才支持计划, 2016.01-2018.12, 30万元, 结题, 主持

3. 国家自然科学基金青年科学基金项目 (31400013), 基于转录组测序的腹黏菌亚纲和发网菌亚纲黏菌核糖体序列测定及分子系统学研究, 2015.01-2017.12, 24万元, 结题, 主持

4. 吉林省科技发展计划项目自然科学基金项目面上项目 (20140101221JC), 西藏高山苔原带特有大型真菌适应性研究, 2014.01-2016.12, 7万元, 结题, 主持

#### 荣誉与奖项:

2016年, 教育部科技进步一等奖, 第五完成人。

#### 近年代表性学术成果:

论文:

1. Yu Bao\*, Bao Qi\*, Wei Huang, Bao Liu and Yu Li. (2020). The fungal community in non-rhizosphere soil of *Panax ginseng* are driven by different cultivation modes and increased cultivation periods. *Peer J*, 8:e9930.
2. Zhang H\*, Zhu B\*, Qi B\*, Gou X, Dong Y, Xu C, Zhang B, Huang W, Liu C, Wang X, Yang C, Zhou H, Kashkush K, Feldman M, Wendel JF, Liu B. (2014). Evolution of the BBAA component of bread wheat during its history at the allohexaploid level. *The plant cell*, 26(7): 2761-76.
3. Bao Qi, Wei Huang, Bo Zhu, Xiaofang Zhong, Jianhua Guo, Na Zhao, Chunming Xu, Huakun Zhang, Jinsong Pang, Fangpu Han and Bao Liu (2012). Global transgenerational gene expression dynamics in two newly synthesized allohexaploid wheat (*Triticum aestivum*) lines. *BMC Biology*, 10(3).
4. Bao Qi, Xiaofang Zhong, Bo Zhu, Na Zhao, Liying Xu, Huakun Zhang, Xiaoming Yu, Bao Liu (2010). Generality and characteristics of genetic and epigenetic changes in newly synthesized allotetraploid wheat lines. *J. Genet. Genomics*, 37:737-748.