

[收藏本站](#)[设为首页](#)[English](#) [联系我们](#) [网站地图](#) [邮箱](#) [旧版回顾](#)

面向世界科技前沿，面向国家重大需求，面向国民经济主战场，率先实现科学技术跨越发展，
率先建成国家创新人才高地，率先建成国家高水平科技智库，率先建设国际一流科研机构。

——中国科学院办院方针

[搜索](#)[首页](#) [组织机构](#) [科学研究](#) [人才教育](#) [学部与院士](#) [资源条件](#) [科学普及](#) [党建与创新文化](#) [信息公开](#) [专题](#)

首页 > 科技动态

研究发现李斯特菌毒性超强形式

文章来源：中国科学报 鲁捷 发布时间：2016-02-02 【字号：[小](#) [中](#) [大](#)】[我要分享](#)

数千种李斯特菌均会造成严重的食源性疾病。一项基因组学研究发现了更容易引起疾病的那些菌株，并摸清了先前人们不知道的细菌感染人且造成疾病的相关因素，该研究可以让人们更好地监控这些病菌。相关成果近日发表于《自然—遗传学》。

食用李斯特菌感染的食物会引发食源性疾病，该病菌对孕妇尤其危险，会造成流产或使新生儿罹患危及生命的疾病。李斯特菌症对老年人、新生儿和免疫系统受损的人也是潜在的重大威胁。监管机构一直认为，这种细菌所有类型的毒性是一致的，其致病能力没有差别。

法国巴黎巴斯德研究院Marc Lecuit团队从临床样本和食品中搜集了6633株李斯特菌菌株，然后把这个高度多样的样本集与李斯特菌症患者的医疗记录相对比，判断哪些菌株最容易引起疾病。他们发现，一些菌株能在免疫系统完好的人中造成疾病，这意味着这些细菌比同类中其他细菌的毒性更强，可以逃脱免疫系统的监控。研究者比较了104株具有代表性的菌株的基因组，发现一些基因会让病菌毒性更强，其中有一组名为LIP1-4的基因，可能在细菌感染中枢神经系统的能力中起作用。

(责任编辑：侯苗)

热点新闻

中科院江西产业技术创新与育成...

中科院西安科学园暨西安科学城开工建设
中科院与香港特区政府签署备忘录
中科院2018年第3季度两类亮点工作筛选结...
中科院8人获2018年度何梁何利奖
中科院党组学习贯彻习近平总书记致“一...

视频推荐



【新闻联播】“率先行动”
计划领跑科技体制改革



【朝闻天下】环形正负电子
对撞机概念设计完成

专题推荐

中科院2018年第3季度 两类亮点工作筛选结果



© 1996 - 2018 中国科学院 版权所有 京ICP备05002857号 京公网安备110402500047号 联系我们

地址：北京市三里河路52号 邮编：100864