

## 中国耐多药结核分枝杆菌临床分离株rpoB基因突变特点

乐 军<sup>1,2</sup>, 曾而良<sup>1</sup>, 谢建平<sup>3</sup>, 李 瑶<sup>1</sup>, 梁 莉<sup>2</sup>, 王洪海<sup>1</sup>, ①

1. 复旦大学生命科学学院遗传学研究所遗传工程国家重点实验室; 上海 200433; 2. 上海市肺科医院; 上海 200433; 3. 西南师范大学; 现代生物医药研究所; 生命科学学院 重庆 400715

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 为阐明中国耐多药结核分枝杆菌临床分离株rpoB基因的突变特征, 对86株结核分枝杆菌临床分离株rpoB基因两个区域, 包括81个碱基利福平抗药性决定区(rifampin resistance determining region, RRDR)和V176F区进行序列测定。其中72株耐多药分离株中的65株rpoB基因的RRDR区存在22种不同类型突变、21种点突变和一个插入突变。最常见的突变

部位分别位于密码子531(41%)、526(40%)和516(4%), 10%耐药分离株未检测到突变。鉴定了RRDR内6个新的等位基因, 以及RRDR外部区域5个新的突变。所有分离菌株V176均无突变。研究中国耐多药结核分枝杆菌rpoB基因突变特点将有助于开发耐多药结核病快速诊断方法和探讨利福平耐药的分子机理。

**关键词** [结核分枝杆菌](#) [耐药性](#) [rpoB基因](#) [突变频率](#) [DNA序列分析](#)

分类号

1. State Key Laboratory of Genetic Engineering; Institute of Genetics; School of Life Science; Fudan University; Shanghai 200433; China; 2. Shanghai Pulmonary Hospital; Shanghai 200433; China; 3. School of Life Science; Institute of Modern Biopharmaceuticals; Southwest Normal University; Chongqing 400715; China

### Abstract

**Key words** [Mycobacterium tuberculosis](#) [drug-resistance](#) [rpoB gene](#) [mutation](#) [DNA sequencing](#)

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(206KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“结核分枝杆菌”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [乐 军](#)
- 
- [曾而良](#)
- [谢建平](#)
- [李 瑶](#)
- [梁 莉](#)
- [王洪海](#)
-