

## 白鱼线粒体DNA控制区结构和种群遗传多样性分析

杨 博<sup>1,2</sup>, 陈小勇<sup>1</sup>, 杨君兴<sup>1</sup>

1. 中国科学院昆明动物研究所, 云南 昆明 650223; 2. 中国科学院研究生院, 北京 100049

收稿日期 2007-11-5 修回日期 网络版发布日期 2008-8-22 接受日期 2008-6-12

**摘要** 用特异性引物对白鱼 (*Anabarilius grahmi*) DNA进行PCR扩增, 获得了白鱼线粒体DNA控制区基因全序列 (930 bp)。控制区T、C、A和G碱基组成为29.8%、22.5%、33.0%和14.7%。对照其他已报道的鱼类控制区结构, 对白鱼控制区结构进行了分析, 识别了其终止序列区、中央保守区和保守序列区, 找到了终止相关的序列TAS以及保守序列 (CSB-F、CSB-D、CSB-1、CSB-2、CSB-3)。同时运用DNA分析软件对白鱼一个驯养种群 (中国科学院昆明动物研究所珍稀鱼类繁育中心) 及两个自然地理种群 (江川县明星鱼洞、江川县牛摩村) 进行了遗传多样性分析。结果显示: 两个自然种群存在较强基因交流, 未出现遗传分化; 人工驯养种群遗传多样性最高, 种群复壮程度较好。

**关键词** [白鱼](#); [线粒体DNA](#); [控制区](#); [遗传多样性](#)

分类号

**DOI: 10.3724/SP.J.1141.2008.04379**

通讯作者:

陈小勇, 杨君兴 [yangjx@mail.kiz.ac.cn](mailto:yangjx@mail.kiz.ac.cn), [chenxy@mail.kiz.ac.cn](mailto:chenxy@mail.kiz.ac.cn)

作者个人主页:

杨 博<sup>1;2</sup>; 陈小勇<sup>1</sup>; 杨君兴<sup>1</sup>

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (470KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“白鱼; 线粒体DNA; 控制区; 遗传多样性”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [杨 博](#)
- [陈小勇](#)
- [杨君兴](#)