

三种猫科动物MHC Class II DRB等位基因序列变异性分析

王倩, 吴孝兵*, 晏鹏

安徽师范大学 生命科学学院 重要生物资源保护与利用安徽省重点实验室, 安徽 芜湖 241000

收稿日期 2005-11-3 修回日期 网络版发布日期 2006-4-22 接受日期 2006-1-10

摘要

分析了云豹(*Neofelis nebulosa*)、豹(*Panthera pardus*)和东北虎(*Panthera tigris altaica*)等3种猫科动物的主要组织相容性复合物Class II DRB座位的等位基因序列变异性。使用一对简并性引物扩增了DRB座位第二外元目标片段。用单链构像多态性分析方法确定不同的单倍型。每个个体挑出15个单克隆用来分离、纯化和测序。实验中从4个个体中获得了8种不同序列。237 bp核苷酸序列中发现有59个变异位点。根据人类的抗原肽结合区推测79个氨基酸位点中存在21个假定的抗原肽结合位点, 而且非同义替换率明显高于同义替换率, 这可能说明了第二外元的较高变异性是由平衡选择作用来维持的。重建的NJ树和MP树显示豹和东北虎的亲缘关系较近, 而两者与云豹的亲缘关系较远。

关键词 [MHC基因; DRB座位; 第二外元; 猫科动物; 变异性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

吴孝兵 wuxb@mail.ahnu.edu.cn

作者个人主页: 王倩; 吴孝兵*; 晏鹏

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (965KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“MHC基因; DRB座位; 第二外元; 猫科动物; 变异性”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [王倩](#)
- [吴孝兵](#)
- [晏鹏](#)