

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 指环虫属的早期辐射及其与宿主鲤科鱼类的协同进化关系

作者: 吴相云 谢明权 李安兴

中山大学生命科学学院

摘要: 本研究利用28S rDNA C1-D2区序列分析采自鲤科鱼类中6亚科宿主和寄生在花鲈、梅花鲈上的共17种指环虫的系统发育关系。同时, 通过比较宿主鲤科鱼类与指环虫的系统发育树, 检验指环虫与其宿主是否存在共进化关系。结果表明: 17种指环虫形成5个进化支(Clade), 其中寄生在团头鲂(鲃亚科)和鲢、鳙(鲢亚科)上的6种指环虫聚为一支(Clade 1), 而它们的宿主鱼类在系统发育分析中也表现为近缘关系; 寄生在鲮鱼(野鲮亚科)上的*D. quanfami* (Clade 5)位于系统树最基部, 鲫鱼和鲤鱼(鲤亚科)寄生指环虫处在系统树的次基部位置, 而鲤亚科与野鲮亚科组成的姐妹群在宿主系统树上同样处在基部位置, 寄生虫和宿主在进化上较为原始的地位得到了很好地相互印证。因而, 本研究首次利用分子系统学手段分析指环虫属远缘物种间的系统关系, 揭示了指环虫属与宿主鱼类之间存在协同进化关系。另外, 本研究首次发现, 野鲮亚科鱼类也可能是指环虫类的早期宿主, 这与先前认为鲤亚科鱼类为指环虫类的祖先宿主的推测有所不同[动物学报53(4): 651 - 658, 2007]。

关键词: 指环虫属 鲤科鱼类 28S Rdna 协同进化 系统发育

通讯作者: 李安兴 (E-mail:axli2004@163.com).

这篇文章摘要已经被浏览 520 次, 全文被下载 98 次。

[下载PDF文件 \(971062 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>