

鲤科四种鱼肠道菌群的相似性及其与系统进化的关系 A Study of the Construction of Evolutionary Tree of Four Fishes in Cyprinidae by Similarity Values of Intestinal Microflora

赵庆新 ZHAO Qing-xin

江苏省盐城师范学院生物系江苏盐城 224001 Department of Biology Yancheng Teachers University, Yancheng Jiangsu, 224001 China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 在同一背景条件下,对草鱼、白鲢、团头鲂和鲤鱼等4种鱼的肠道菌群中好氧性菌或兼性厌氧菌进行分析鉴定,得到4种鱼之间的肠道菌群相似值.用UPGMA和NJ法构建鲤科的雅罗鱼亚科、鲢亚科、鳊亚科和鲤亚科等4种亚科的系统演化树.不同亚科的鱼间菌群分布有较大差异,但雅罗鱼亚科和鳊亚科在菌群分布方面有极显著的正相关性.哈夫尼亚菌属、致病杆菌属、气单胞菌属、柠檬酸菌属、假单胞菌属等在4种鱼肠道中均有分布,链球菌属、拉恩氏菌属、芽孢杆菌属、葡萄球菌属等属于共生菌.雅罗鱼亚科和鳊亚科相邻邻接为一个共同接点,该接点与鲤亚科连接为一个接点,鲤亚科可能是最原始的类型.

Abstract:This paper is an analysis and appraisal of aerobe and facultative anaerobe among intestinal bacterium of the following fishes:Ctenophar yngodomidellus,Hypophtha lmichthys molitrix,Megalorama ambly cephalo Yih and Cyprinus carpio haematopterus under same surroundings.After that,We contain similarity values of intestinal bacteria were obtained between every two kinds of the four fishes.We constructed the revolutionary trees of in Cyprinidae,Leuciscinae,Abramidinae,Cyprininae and Hypophthalmi by NJ method and UPGMA method according to the similarity values.

关键词 [肠道菌群相似值](#) [鲤科](#) [系统演化树](#) **Key words** [similarity values of intestinal bacteria](#) [cyprinidae](#) [evolutionary tree](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“肠道菌群相似值”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)
- [赵庆新ZHAO Qing-xin](#)