

## 中国胭脂鱼线粒体控制区遗传多样性分析

孙玉华1, 王伟3, 刘思阳1, 2, 何舜平3, 邵雪玲1, 谢志雄1, 邓凤姣1, 刘勇4, 童金苟2, 吴清江2

1.武汉大学生命科学学院;武汉 430072; 2.中国科学院水生生物研究所淡水生态与生物技术国家重点实验室;武汉 430071; 3.中国科学院水生生物研究所;武汉 430071; 4.葛洲坝中华鲟研究所;宜昌 443100

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用PCR技术扩增了采自长江宜昌江段和清江的8尾中国胭脂鱼线粒体DNA控制区全序列. 研究发现该种具有脊椎动物线粒体控制区的一般结构. 在获得的958bp的碱基序列中, 共检测出32个多态性核苷酸变异位点, 多态位点比例为0.033. 核苷酸的变异位点除一个为缺失外, 其余全部为碱基转换. 变异位点主要集中在55~365bp高变异区, 而其他区域突变稀少. 个体的变异在0~1.36?之间, 表现出较大的个体多态性差异. 中国胭脂鱼的线粒体控制区的变异远大于美国胭脂鱼 (*Moxostoma robustum*) 的0.016.

**关键词** [中国胭脂鱼](#) [线粒体DNA控制区](#) [遗传多样性](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(149KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [复制索引](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

▶ [本刊中 包含“中国胭脂鱼”的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

- [孙玉华](#)
- [王伟](#)
- [刘思阳](#)
- 
- [何舜平](#)
- [邵雪玲](#)
- [谢志雄](#)
- [邓凤姣](#)
- [刘勇](#)
- [童金苟](#)