

## 小鼠P16INK4a基因位点的结构和功能研究

龚振明<sup>1, 2</sup>, 杨桦<sup>1</sup>, 傅继梁<sup>1</sup>

1.第二军医大学医学遗传教研室;上海 200433; 2.上海交通大学动物科学系;上海 201101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** p16INK4a基因的失活与多种肿瘤的发生和发展有联系. 通过筛选小鼠基因组文库, 获得长度为14. 5kb的p16INK4a基因组DNA片段. 对上述14. 5kbDNA测序后进行生物信息学分析表明: 该片段包含3个外显子, 编码1个由168个氨基酸残基组成的多肽, 其相对分子质量的理论计算值为17941, 有7个可能的磷酸化位点, 说明p16INK4a蛋白的功能可能受到磷酸化的调控. 该DNA片段的非编码区分布着大量短散布元件、长散布元件和简单重复序列, 这样的结构为转座和同源重组提供了结构基础, 提示了部分肿瘤细胞中p16INK4a基因缺失的可能原因. 对第一外显子序列与已发表的相应序列比较发现其DNA序列和所编码的多肽存在多态性.

**关键词** [p16INK4a](#) [磷酸化调控](#) [基因缺失](#) [DNA和多肽多态性](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(253KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“p16INK4a”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [龚振明](#)
- 
- [杨桦](#)
- [傅继梁](#)