动物学研究 2008 29 (6): 585-591 ISSN: 0254-5853 CN:

蝗科高级阶元的分子系统发育(英文)

刘殿锋 [1,2]，董自梅 [2]，张大羽 [1]，谷延泽 [2]，郭培军 [2]，韩瑞花 [2]，蒋国芳 [1]

1 .南京师范大学 生命科学学院，江苏省生物资源技术重点实验室，南京 210046；2. 濮阳职业技术学院 生物工程与农业经济系，濮阳 457000

收稿日期 2008-2-25 修回日期 网络版发布日期 2008-12-22 接受日期 2008-9-18

摘要 迄今，蝗科内各分类阶元之间的系统发生关系大部分是未知的。本文用12S rDNA和16S rDNA两个基因的联合序列(795 bp)数据，以锥头蝗科的锥头蝗为外群，重建了分子系统树。研究结果表明，在12S rDNA与16S rDNA组成的联合数据中，转换的替代速率明显比颠换的替代速率高得多，核酸的替代已经发生了饱和。分子系统树表明：斑翅蝗亚科是一单系群，该亚科是一个合法的亚科，但斑腿蝗亚科和蝗亚科都不是单系群；斑翅蝗亚科在蝗科内是一个相对原始的类群，而稻蝗亚科比斑翅蝗亚科相对进化，比蝗科的其他亚科的种类相对原始。

关键词 系统发育；蝗科；16S rDNA；12S rDNA

分类号

DOI: 10.3724/SP.J.1141.2008.06585

通讯作者:
蒋国芳 cnjgf1208@163.com
作者个人主页: 刘殿锋 [1;2];董自梅 [2];张大羽 [1];谷延泽 [2];郭培军 [2];韩瑞花 [2];蒋国芳 [1]

扩展功能
本文信息
Supporting info
PDF(402KB)
[HTML全文](0KB)
参考文献[PDF]
参考文献
服务与反馈
把本文推荐给朋友
加入我的书架
加入引用管理器
引用本文
Email Alert
文章反馈
浏览反馈信息
相关信息
本刊中 包含“系统发育；蝗科；16S rDNA；12S rDNA”的 相关文章
本文作者相关文章
• 刘殿锋
•
• 董自梅
• 张大羽
• 谷延泽
• 郭培军
• 韩瑞花
• 蒋国芳