

科研队伍

当前位置: 首页 > 科研队伍 > 人员简介

人员简介

研究方向

常用链接

家蚕基因组数据库

国家科技部

国家教育部

国家自然科学基金委

国家973网站

国家863网站

西南大学

何宁佳

发布时间: 2016-07-20 查看 714次 字体: [大] [中] [小]

何宁佳



研究员, 博士生导师, 农学博士学位, 教授, 博士生导师, “巴渝学者”特聘教授, 重庆市首届十佳青年科技奖获得者。

简历:

1988-1992	西南农业大学生物基础部	本科生
1992-1998	西南农业大学蚕桑系	研究生
1997-1998	日本信州大学纤维学部	交换留学生
1999-2000	湖南师范大学生命科学学院	副教授
2001-2005	日本九州大学家蚕遗传资源中心	特别研究员
2005-2007	美国乔治亚大学细胞生物学系	博士后
2006-至今	西南大学家蚕系统生物学研究所	教授

主要科研领域与方向:

蚕桑分子生物学及功能基因组研究, 主要包括桑树优质性状的分子机制和网络调控; 桑树资源及其染色体进化以及桑树活性物质的研究。

科学成就:

主要从事蚕桑分子生物学研究, 在家蚕作为鳞翅目害虫防治的模式昆虫方面开辟了新的研究领域。先后主持承担了“973”课题、863重点项目、国家自然科学基金、重庆市杰出青年基金等多项研究课题。带领西南大学桑树研究团队开展了桑树基因组的测序研究工作, 解析获得了接近3万个桑树基因, 建立了桑树基因组数据库、蛋白质组学平台、次生物质代谢组学平台, 确立我国在桑树功能基因组研究上的核心优势。现担任重庆市蚕学会常务理事, 重庆市青科联常务理事、重庆市蚕桑品种审定委员会副主任委员, 教育部蚕桑资源与分子改良工程中心主任和农业部桑树品种改良中心重庆分中心主任。在国际杂志上发表高水平SCI研究论文40多篇, 获得授权专利3个。担任重要学术杂志审稿人。参编专著一部, 出版译著一本。

代表性论文/论著:

He N, Zhang C, Qi X, Zhao S, Tao Y, Yang G, Lee TH, Wang X, Cai Q, Li D, Lu M, Liao S, Luo G, He R, Tan X, Xu Y, Li T, Zhao A, Jia L, Fu Q, Zeng Q, Gao C, Ma B, Liang J, Wang X, Shang J, Song P, Wu H, Fan L, Wang Q, Shuai Q, Zhu J, Wei C, Zhu-Salzman K, Jin D, Wang J, Liu T, Yu M, Tang C, Wang Z, Dai F, Chen J, Liu Y, Zhao S, Lin T, Zhang S, Wang J, Wang J, Yang H, Yang G, Wang J, Paterson AH, Xia Q, Ji D, Xiang Z, Draft genome sequence of the mulberry tree *Morus notabilis*, *Nat Commun.*, 2013, 4:2445

Ma B, Luo Y, Jia L, Qi X, Zeng Q, Xiang Z, He N*. 2013. Genome-wide identification and expression analyses of cytochrome P450 genes in mulberry (*Morus notabilis*). *J Integr Plant Biol.* Dec 4. doi: 10.1111/jipb.12141

Wang Q, Ma B, Qi X, Guo Q, Wang X, Zeng Q, He N*. 2014. Identification and characterization of genes involved in the jasmonate biosynthetic and signaling pathways in mulberry (*Morus notabilis*). *J Integr Plant Biol.* Jan 16. doi: 10.1111/jipb.12166

Xu Y, Jiang N, Zou Z, Tu Z, Chen A, Zhao Q, Xiang Z, He N*. 2014. Retrotransposon "Qian" mediated segmental duplication in silkworm, *Bombyx mori*. *Insect Biochem Mol Biol*. 46:9-16

Qi X, Shuai Q, Chen H, Fan L, Zeng Qiwei, He N*. Cloning and expression analyses of the anthocyanin biosynthetic genes in mulberry plants. *Molecular Genetics and Genomics*, 2014, Volume 289, Issue 5 (2014), Page 783-793, DOI 10.1007/s00438-014-0851-3

T. Li, X. Qi. Q. Zeng, Z. Xiang, N., He, MorusDB: a resource for mulberry genomics and genome biology. *DATABASE*, 2014, 1-8 doi: 10.1093/database/bau054 Database tool.

Ling Jia, Dayan Zhang, Xiwu Qi, Bi Ma, Zhonghua Xiang, Ningjia He*. Identification of the conserved and novel miRNA in mulberry by high-throughput sequencing. *PLoS ONE*, 2014, 9 (8), e104409. doi:10.1371/journal.pone0104409

Bi Ma, Tian Li, Zhonghui Xiang, Ningjia He*, MntEdb, a collective resource for mulberry transposable elements. *DATABASE*, 2015, 1-10 doi: 10.1093/database/bav004 Database tool.

Jiubo Liang, Yupeng Wang, Guanyu Ding, Wensheng Li, Guangwei Yang, Ningjia He*. 2015. Biotic stress-induced expression of mulberry cystatins and identificatio of cystatin exhibiting stability to silkworm gut proteinases. *Planta*, DOI 10.1007/s00425-015-2345-x

Ling Jia, Dayan Zhang, Zhonghua Xiang, Ningjia He*. Nonfunctional ingestion of plant miRNAs in silkworm revealed by digital droplet PCR and transcriptome analysis. *Scientific Reports*, 5: 12290 DOI: 10.1038/srep12290

联系地址: 重庆市北碚区西南大学(南区)家蚕基因组生物学国家重点实验室, 400716

电 话: 023-68250797

传 真: 023-68251128

E-mail: hejia@swu.edu.cn

[上一篇: 曾其伟](#)

[赵爱春: 下一篇](#)

[【收藏本页】](#) [【打印此页】](#) [【关闭窗口】](#)

[实验室位置](#)

[合作交流](#)

[招生信息](#)

[科研平台](#)

[药品管理系统](#)

[联系我们](#)

[常用链接](#)

家蚕基因组生物学国家重点实验室, 西南大学, 重庆北碚

电话: 023-68251683 传真: 023-68251128 邮箱: sklsgb@swu.edu.cn