



我国科学家破译食蟹猴与恒河猴基因组

发布时间: 2011-10-20 11:03:00 分享到:

发布日期: 2011-10-20

本月17日, 由华南理工大学生物科学与工程学院名誉院长王小宁教授为共同责任作者, 青年教师、副研究员凌飞为共同第一作者参与完成的论文《食蟹猴与中国恒河猴两种非人灵长类动物模型的基因组测序与比较》在国际顶尖期刊《自然生物技术》上在线发表, 实现了华工生物学院教师问鼎自然系列杂志零的突破, 也是生命科学创新学院与深圳华大基因研究院合作的又一重大成果。

有关负责人介绍, 该研究成果破译了灵长类动物猕猴属的食蟹猴与中国恒河猴的基因组, 是猴遗传背景工作框架的又一重要阶段性成果, 对更好地了解灵长类的进化过程和遗传背景差异具有重要意义, 同时为新药评价与研究、灵长类动物学、基础医学、群体遗传学和系统地理学等研究提供了重要的参考资料, 也为进化医学研究奠定了科研基础。

据悉, 该项目在华工生物科学与工程学院首任院长王小宁教授历经十年的策划和推动下, 由华南新药创制中心及国家“973”计划资助下, 由华大深圳基因研究院联合华南理工大学、华南新药创制中心、中科院昆明动物所等多家单位进行。王小宁教授课题组主要承担基因组测序后大量的补漏和验证工作, 包括单核苷酸替换、大量的插入、缺失及染色体重排的海量验证, 尤其是重要疾病基因在食蟹猴与恒河猴群体中的遗传变异研究。在此研究基础上, 该课题组下一步会对这些重要疾病基因在HIV发病机理中的重要作用进行深入的研究与探讨。

“这是生物科学与工程学院献给学校的一份完美答卷。”王小宁十分自豪, 历时两年的潜心研究终获突破, 由华工青年教师作为共同第一作者发表



高水平论文是校史首次。

文章来源：南方日报

[联系我们](#) | [人才招聘](#)

© 版权所有 中国实验动物学会 京ICP备14047746号 京公网安备11010502026480

地址：北京市朝阳区潘家园南里5号 (100021) 电话：010 - 67776816 传真：010 - 67781534 E-mail: calas@cast.org.cn

技术支持：山东瘦课网教育科技股份有限公司

| [站长统计](#)

