



## 昆明动物所等在灵长目疣猴亚科分子系统学研究中取得进展

文章来源：昆明动物研究所

发布时间：2012-05-02

【字号：小 中 大】

灵长目疣猴亚科 (*Colobinae*) 物种是经历快速辐射进化和近期物种形成事件的典型类群，围绕其所包含的各属之间的系统发育关系一直是国内外研究的热点。

中国科学院昆明动物研究所张亚平院士、云南大学于黎研究员和博士研究生王晓萍结合模式生物基因组信息，系统筛选得到44个新的单拷贝核基因内含子片段，并结合线粒体基因组信息，开展灵长目疣猴亚科属间系统发育关系研究。核基因和线粒体基因组分析结果得到了不同的系统发育树拓扑结构：核基因结果支持在亚洲疣猴中，长尾叶猴属 (*Semnopithecus*) 属和乌叶猴属 (*Trachypithecus*) 聚为姐妹群，叶猴属 (*Presbytis*) 和奇鼻猴类群 [the odd-nosed monkey; 包括金丝猴属 (*Rhinopithecus*), 白臀叶猴属 (*Pygathrix*) 和长鼻猴属 (*Nasalis*)] 聚为姐妹群。而在奇鼻猴类群中，白臀叶猴属和金丝猴属的关系更近。

线粒体基因组分析结果则支持亚洲疣猴中，长尾叶猴属最先分歧，奇鼻猴类群是叶猴属和乌叶猴属的姐妹群。而在奇鼻猴类群中，白臀叶猴属和长鼻猴属关系更近。另外一个重要的结果是所有分析结果都不支持最近提出的“非洲疣猴并系和杂交”的假说，支持非洲疣猴的单系起源。

该研究结果发表在 *PLOS ONE* 上 (2012, 7: e36274)。

[打印本页](#)
[关闭本页](#)