

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 双翅目昆虫(黑腹果蝇和冈比亚按蚊)内含子丢失的比较分析

作者: 金珊, 胡广安, 张菁, 曾庆韬

摘要: 内含子插入和丢失的进化动力及机制尚存在许多疑问。通过对真核生物的105个同源基因的蛋白质高度保守区域内含子-外显子结构的研究, 对人 *Homo sapiens*、小鼠 *Mus musculus*、大鼠 *Rattus norvegicus*、黑腹果蝇 *Drosophila melanogaster*、冈比亚按蚊 *Anopheles gambiae* 和秀丽隐杆线虫 *Caenorhabditis elegans* 的3 574个内含子、1 001个的内含子保守位点进行分, 推断出不同系统中内含子的变化途径。发现在进化早期, 脊椎动物、双翅目昆虫和线虫的共同祖先中含有大量内含子, 在进化过程中, 双翅目昆虫和线虫发生了大量的内含子丢失, 甚至在双翅目昆虫中内含子丢失较线虫更严重。线虫获得的内含子略多于丢失的内含子, 而在双翅目昆虫中则显示出内含子的丢失明显多于内含子的获得。该结果合理地解释了内含子在脊椎动物、线虫及昆虫中数量的分布呈下降趋势。

关键词: 双翅目昆虫; 脊椎动物; 线虫; 进化; 内含子丢失; 蛋白质高度保守区域

这篇文章摘要已经被浏览 200 次, 全文被下载 102 次。

[下载PDF文件 \(277793 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcxb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>