

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 昆虫谷胱甘肽S-转移酶的基因结构及其表达调控

作者: 陈凤菊, 高希武

摘要: 谷胱甘肽S-转移酶 (glutathione S-transferases, GSTs) 属于一个超家族, 目前已从20多种昆虫中克隆得到了近百个GSTs基因序列。这些基因分属于至少3个类别, I (Delta) 类, II类和III (Epsilon) 类, 其中I类和III类是昆虫特异性的类别。昆虫I类GSTs基因通常由多基因家族编码, 基因多态性在不同昆虫种类中差异很大。II类基因的种类较少, 基因的结构较简单, 通常是单拷贝基因。III类基因是最近才鉴定出来的新类别, 目前仅在黑腹果蝇和冈比亚按蚊中明确了其在染色体上的定位。基因簇、可变剪接和基因融合等机制是导致昆虫GSTs基因多态性的主要原因。在抗性昆虫种群中, GSTs表达量的增加有mRNA水平的提高和基因扩增两种机制, 但后一种机制的报道很少。GSTs活性的增加是由于属于一类或多类的多个同工酶的增量调控, 也有少数是由于单个同工酶的增量调控。GSTs的表达受反式调控元件和顺式调控元件的调控。目前仅有少数含有调节基因的染色体大致位点和可能的调控元件得到鉴定。

关键词: 谷胱甘肽S-转移酶; 昆虫; 基因结构; 表达调控

通讯作者: 高希武 (E-mail: gaoxiwu@263.net.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 102 次, 全文被下载 115 次。

[下载PDF文件 \(417671 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>