

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 四十五种叶蝉的染色体研究(同翅目: 叶蝉总科)

作者: 田润刚¹, 张雅林^{2*}, 袁锋²

摘要: 研究观察了45种中国雄性叶蝉的减数分裂, 其中44种的核型为首次报道, 染色体数目变化在 $2n=12\sim 26$ 之间, 性别决定均为X0型。从叶蝉总科的组型图来看, 该科染色体数目变化在 $2n=8\sim 28$ 之间, 峰值为 $2n=18(16+X0)$, 另外几种类型 $2n=16, 20, 22$ 也有较高的出现频率。科内染色体数目的进化不具有明显的方向性, $2n=22(20+X0)$ 是该科的原始核型, 易位导致的不均等互换可能是染色体数目进化的主要机制。从精子发生来看叶蝉总科与角蝉总科的关系较为密切, 两者的共同特点是: ①精母细胞体积较大, 显著不同于沫蝉和蝉科; ②减数分裂行为及精子变态过程相似; ③染色体数目较少, 染色体体积较大; ④减数分裂前期具有典型的花束期, 没有弥散期, 因而不同于蜡蝉。但是由于叶蝉总科的染色体变异范围明显大于角蝉总科, 而角蝉总科的核型相对较为保守, 从核型上来说角蝉总科是比叶蝉总科较为原始的类群。

关键词: 叶蝉总科; 核型; 染色体; 减数分裂

这篇文章摘要已经被浏览 59 次, 全文被下载 22 次。

[下载PDF文件 \(5592354 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>