

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 十二种沫蝉的染色体研究 (同翅目: 沫蝉总科)

作者: 田润刚¹, 张雅林^{2*}, 袁 锋²

摘要: 观察了同翅目头喙亚目12种沫蝉雄性的染色体数目和减数分裂行为。通过对沫蝉总科现有核型资料的分析, 认为沫蝉总科的核型特点是: ①染色体较小, 数目较多, 总科内染色体数目变化范围较大, 众数为 $2n=26(24+X0)$; ②染色体的易位现象极为普遍, 因此可以推测, 通过染色体的易位导致染色体数目增加是核型进化的主要机制; ③减数分裂前期 I 具有典型的花束期, 但没有弥散期。因此从精子发生来看沫蝉总科与叶蝉总科、角蝉总科和蝉总科的关系更为密切, 而与蜡蝉总科的关系较远。头喙亚目的亲缘关系可能是: 蜡蝉总科+{蝉总科+ [沫蝉总科+ (叶蝉总科+角蝉总科)]}。

关键词: 同翅目; 沫蝉总科; 染色体; 减数分裂; 核型

通讯作者: 张雅林 (E-mail: yalinzh@nwsuaf.edu.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 144 次, 全文被下载 59 次。

[下载PDF文件 \(304512 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>