

基于18S rDNA序列的蟠次目(半翅目: 异翅亚目)

李红梅¹, 邓日强², 王xun章^{2,*}

1. 仲恺农业技术学院 生命科学学院, 广东 广州 510225 2. 中山大学 生命科学学院生物控制国家重点实验室, 广东 广州 510275

收稿日期 2005-12-5 修回日期 网络版发布日期 2006-6-22 接受日期 2006-3-23

摘要 利用18S rDNA分子约1 912 bp的序列对蟠次目21个科53个种进行系统发育分析。运用MP法、ML法和NJ法分析后的结果表明: 蟠次目的单系性得到很高的支持; 扁蟠总科成为毛点类的姐妹群; 毛点类基本确定为两大分支: 一支包含蟠总科和红蟠总科; 另一支主要由长蟠总科、缘蟠总科和南蟠总科组成; 长蟠总科和缘蟠总科都是多系; 长蟠总科中, 跳蟠科和皮蟠科的关系最近, 构成姐妹群, 位于整个毛点类的基部; 与长蟠总科中另外两个科长蟠科和地长蟠科的关系很远。说明利用18S rDNA分子对研究蟠次目的系统发育关系是适合的, 能够重建蟠次目; 扁蟠总科和蟠总科单系性的结果与形态学的研究以及Li et al (2005)的研究一致; 但较Li et al (2005)的研究更进一步把红蟠总科从广义的缘蟠总科中分出来; 并建议皮蟠科作为一个独立的总科更合适。

关键词 [分子系统发育](#); [蟠次目](#); [18S rDNA](#); [毛点类](#)

分类号 [Q969.35](#); [Q75](#)

DOI:

通讯作者:

王xun章 wxx@zsu.edu.cn

作者个人主页:

李红梅¹; 邓日强²; 王xun章^{2,*}

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(695KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“分子系统发育: 蟠次目; 18S rDNA; 毛点类”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [李红梅](#)
- [邓日强](#)
- [王xun章](#)
- [_____](#)