

研究论文

中国云南果蝇属暗果蝇种组的核型分化(英文)

高建军^{1,2,3}, 渡部英昭⁴, 张亚平^{1,2}, 青 正志⁵

1. 中国科学院昆明动物研究所, 云南 昆明 650223 2. 云南大学 生物资源保护与利用重点实验室, 云南 昆明 650091 3. 中国科学院研究生院, 北京 100039 4. 北海道教育大学, 日本 北海道 002-8502 5. 东京都立大学, 日本 东京 192-0397

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 观察了新近发现于我国云南的果蝇属暗果蝇种组(*Drosophila obscura* species group)种类 *D. luguensis*、*D. dianensis*和*D. limingi*的有丝分裂中期核型, 并将3个种的核型与各自的近缘种类进行了比较。*D. luguensis*具 $2n=12$ 条染色体, 包括3对中央着丝粒(V形)染色体、2对近端着丝粒(棒状)染色体以及1对微小(点状)染色体。其中X和Y染色体均为中央着丝粒染色体。*D. dianensis*和*D. limingi*具 $2n=10$ 条染色体, 包括1对大的V形常染色体, 1对小的V形常染色体, 2对J形(亚中着丝粒型)常染色体和1对点状染色体。其中X染色体为J形, Y染色体为短棒状。基于核型比较的结果以及*D. sinobscura*亚组地理分布的资料, 结合种间系统发育关系研究结果, 认为*D. luguensis*可能保留了该亚组祖先种类的核型。*D. sinobscura*的核型($2n=12: 2V, 1J, 2R, 1D$)可能由一个pre “*sinobscura hubeiensis*” 谱系的一个分支通过臂间倒位演化而来, 而*D. hubeiensis*的核型($2n=10: 4V, 1D$)可能由该谱系的另一分支通过着丝粒融合(2对近端着丝粒常染色体的融合)而形成。推测在*D. dianensis*和近缘欧洲种*D. subsilvestris*($2n=12: 3V, 2R, 1D$)间、*D. limingi*和东亚近缘种*D. tsukubaensis*($2n=12: 3V, 2R, 1D$)间的物种分化过程中, 可能有相似的染色体变异类型发生。

关键词 [暗果蝇种组](#) [核型分化](#) [中国](#)

分类号 [Q969.462.1](#); [Q343.2](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [高建军^{1,2,3}](#); [渡部英昭⁴](#); [张亚平^{1,2}](#); [青 正志⁵](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (327KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“暗果蝇种组”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

• [高建军](#)

•

•

• [渡部英昭](#)

• [张亚平](#)

•