

网站搜索
Search

关键词:

搜索类别:

[搜索](#) [高级搜索](#)

当前位置: 中国科学院>>>科研>>>科研动态>>>生物科学

康乐研究组发现飞蝗两型small RNA转录组的鉴定比较

动物研究所

近期, 中科院动物所康乐研究组应用高通量测序的方法在飞蝗中发现了大量的small RNA。研究人员通过与其它昆虫small RNA的比对发现了50种保守的miRNA, 并且发展了一种新的方法在没有基因组序列的前提下挖掘飞蝗特有的miRNA, 发现了大约185种飞蝗特有的miRNA candidates。本研究还阐述了miRNA*的保守性, 以及昆虫miRNA的进化机制, 大量的endo-siRNA以及piRNA也在飞蝗中鉴定出来。同时研究并发现飞蝗群散两型在small RNA的表达谱上面存在着巨大的差异, 揭示了small RNA在飞蝗型变中可能起到的巨大作用。相关成果发表在Genome Biology杂志上。

[时间: 2009-04-02]

[关闭窗口]

中国科学院-当日要闻

- 广东省委书记汪洋视察华南植物园
- 中科院有关单位及个人获载人航天工程表彰
- 中科院召开研究所综合配套改革试点工作领导...
- 吴英杰赴青藏高原所拉萨部视察并召开现场办...
- 中国科学院义务开展中小企业创新发展培训
- 工信部副部长陈求发到中科院视察探月工程二...
- CNNIC圆满完成温家宝总理在线交流CN...
- 路甬祥再次当选国际科学院委员会联合主席
- 七部委号召科技人员服务企业
- 路甬祥致全院创新文化建设十周年总结交流大...