

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 日本对虾精巢和卵巢全长cDNA文库的构建

作者: 王艺磊, 张子平

集美大学水产生物技术研究所, 水产学院, 厦门, 361021; 香港城市大学生物与化学系, 香港九龙, 中国;

摘要: 采用RDP试剂提取日本对虾精巢和卵巢的总RNA, 经Oligotex试剂盒纯化得到mRNA. 根据SMART (switching mechanism at 5' end of RNA transcript) 技术, 利用含 *Sfi* I 酶切位点的oligo(dT)引物合成cDNA第一条链, 利用含 *Sfi* I 酶切位点的SMART核苷酸作为cDNA第一条链在mRNA 5'端延伸出去的模板, 采用LDPCR引物合成双链cDNA, 双链cDNA用 *Sfi* I 酶切和过柱分级分离后, 与λ TriplEx2两臂进行连接, 随后进行λ噬菌体体外包装反应, 构建成精巢和卵巢之全长cDNA文库. 构建好的文库中, 精巢的文库含有约 1.04×10^6 的重组子, 卵巢的文库含有约为 1.2×10^6 的重组子. 文库扩增后, 滴度分别达 7.3×10^8 (Pfu/ml) 和 9.1×10^8 (Pfu/ml), 插入cDNA长度为400bp~3kb, 说明两文库均具有良好的质量, 为进一步筛选、克隆精巢与卵巢特异表达基因奠定了基础.

关键词: cDNA文库; 精巢; 卵巢; 日本对虾

这篇文章摘要已经被浏览 21 次, 全文被下载 7 次。

[下载PDF文件 \(80894 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcx@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>