

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 基于28S rDNA D2基因片段与形态特征的矛茧蜂亚科系统发育研究(膜翅目: 茧蜂科)

作者: 时敏, 陈学新*, 马云, 何俊华
(浙江大学昆虫科学研究所, 杭州310029)

摘要: 本研究选取矛茧蜂亚科Doryctinae(昆虫纲Insecta: 膜翅目Hymenoptera: 茧蜂科Braconidae)的6族15属18种做内群, 茧蜂科其它7亚科11属11种做外群, 首次结合同源核糖体28S rDNA D2基因序列片段和100个形态学和解剖学特征对该亚科进行了系统发育学研究。利用“非圆口类”的小腹茧蜂亚科Microgastrinae为根, 以PAUP*4.0和MrBayes 3.0B4软件分别应用最大简约法(MP)和贝叶斯法对矛茧蜂亚科的分子数据和分子数据与非分子数据的结合体进行了运算分析; 并以PAUP*4.0对矛茧蜂亚科的28S rDNA D2基因序列片段的碱基组成与碱基替代情况进行了分析。结果表明: 矛茧蜂亚科的28S rDNA D2基因序列片段的GC含量在39.33%~48.28%之间变动, 而对于碱基替代情况来讲, 矛茧蜂亚科各成员间序列变异位点上颠换(transversion)大于转换(transition)。不同的分析算法所产生的系统发育树都表明矛茧蜂亚科是一个界限分明的单系群; 在矛茧蜂亚科内, 除了吉丁茧蜂族Siragrini为单系群外, 其他族(矛茧蜂族Doryctini和方头茧蜂族Hecabolini)都是并系群。对于矛茧蜂亚科内各属之间的相互亲缘关系, 不同算法所得的系统发育树的拓扑结构不完全一致, 表明矛茧蜂亚科内(属及族)的系统发育关系还有待于进一步研究。

关键词: 茧蜂科; 矛茧蜂亚科; 系统发育; 28S rDNA D2; 形态特征

通讯作者: 陈学新 (E-mail: xxchen@zju.edu.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 193 次, 全文被下载 44 次。

[下载PDF文件 \(1270594 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>