

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,  
undefined - undefined 页

题目: 珠母贝属的系统发育: 核rDNA ITS序列证据

作者: 喻达辉<sup>1\*</sup> 朱嘉濠<sup>2</sup>

1 中国水产科学研究院南海水产研究所, 广州 510300

2 香港中文大学李福善海洋科学研究中心, 香港新界沙田

摘要: 珠母贝属(*Pinctada*)的一些种类是生产海水珍珠的重要母贝, 个别种类已濒临灭绝。本文利用核糖体DNA内部转录间隔区1(ITS1)和2(ITS2)序列对珠母贝属常见种类的系统发育和分类地位进行了分析。结果表明: ITS1长410–482 bp, 其中*Pinctada maxima*最长, *P. fucata*, *P. fucata martensii*, *P. imbricata*和*P. nigra*最短。ITS2长210–249 bp, 其中*P. albina*和*P. nigra*最长, *P. maxima*和*P. margaritifera*最短。碱基替换的同质性检测发现, *P. maxima*、*P. margaritifera*和*P. chemnitzii*的碱基替换格局存在显著性差异, 前二者的GC含量显著高于其他种, 在进化上可能比较原始; 而*P. chemnitzii*可能发生过染色体重排事件, 可能是新近形成的种。系统发育分析表明, 所研究的种类可分成3个类群: 类群I包含*P. fucata*、*P. fucata martensii*和*P. imbricata*; 类群II包含*P. albina*、*P. nigra*、*P. chemnitzii*和*P. radiata*; 类群III包含*P. maxima*和*P. margaritifera*。在类群I中, 我国的*P. fucata*、日本的*P. fucata martensii*和澳大利亚的*P. imbricata*的种间遗传分化不明显, 可能为同种, 根据命名优先原则应以*P. imbricata*命名该种为宜。类群II中*P. albina*和*P. nigra*可能是两个亚种, 而GenBank中的*P. radiata*(AY144603)可能是*P. chemnitzii*的误定。类群III(*P. maxima*和*P. margaritifera*)分化较早, 与碱基替换格局的检测结果相符。

关键词: 内部转录间隔区, 种类辨析, 进化关系, 碱基替换格局, 歧异指数

通讯作者: 喻达辉 (E-mail: [pearlydh@pub.guangzhou.gd.cn](mailto:pearlydh@pub.guangzhou.gd.cn)).

这篇文章摘要已经被浏览 607 次, 全文被下载 522 次。

[下载PDF文件 \(381305 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kxcb@ioz.ac.cn](mailto:kxcb@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>