

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期, undefined - undefined 页

题目: 不同地区棉铃虫种群DNA多态性的RAPD分析

作者: 雷仲仁 李 莉 郭予元

摘要: 通过对棉铃虫*Helicoverpa armigera*(Hubner) 17个地理种群DNA多态性进行了RAPD分析, 结果表明: 棉铃虫可以分为四大类群, 三亚(SY)、莎车(SC)和哈密(HM)种群各为独立的一类, 与内地种群有明显的差异, 其中三亚种群差异最大; 第四类包含14个地理种群, 它们之间相对分化较小, 基因相似程度较高, 特别是黄河流域和辽河流域南部的种群间遗传距离最小, 无基因交流障碍。单个个体的RAPD分析表明, 这些种群间的某些个体相互交错, 进一步说明这些种群间可能存在着广泛的基因交流。最后还讨论了形成棉铃虫遗传多态性的主要原因,

关键词: 棉铃虫, 地理种群, 遗传变异, RAPD分析

这篇文章摘要已经被浏览 57 次, 全文被下载 47 次。

[下载PDF文件 \(2225603 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>