

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 基于16S rDNA序列探讨中国剑角蝗科的单系性及其六属的系统发育关系 (英文)

作者: 孙正莉 蒋国芳 霍光明 刘殿锋
南京师范大学生命科学学院

摘要: 在中国学者夏凯龄的分类系统中, 剑角蝗科Acrididae一直被看作是单系群, 包含6个亚科。但是, 近年来的研究对其单系性争议较大。为探讨其单系性和剑角蝗属等6属的系统发育关系, 我们测定了剑角蝗科14种蝗虫的16S rRNA基因部分序列, 并从GenBank中下载了1种蝗虫的同源序列。以蚱科的2个种作外群, 用NJ、MP及ML法重建系统发生树。由三棵分子系统树中得出的系统发生关系与中国的分类系统差别较大, 都不支持剑角蝗科是单系群, 但与国外Kevan的系统相一致, 提示我们国内的分类系统亟待修改和完善。长腹蝗亚科与斑腿蝗科的亲缘关系要近于而与剑角蝗科的其他种类的关系。另外, 尽管所测的红足剑角蝗和上海剑角蝗的16S rDNA的片段序列完全相同, 我们仍不能断定二者是同一个物种[动物学报52(2): 302-308, 2006]。

关键词: 剑角蝗科 长腹蝗亚科 16S rDNA 系统发生关系 单系性

通讯作者: 蒋国芳 (E-mail: cnjgf1208@gmail.com).

这篇文章摘要已经被浏览 545 次, 全文被下载 345 次。

[下载PDF文件 \(889155 字节\)](#)

您是第: **248389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部
地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所
邮 编: 100080
电 话: 010-82872092
传 真: 010-62569682
E-mail: kxcb@ioz.ac.cn
网 址: <http://www.insect.org.cn>