

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 基于rDNA ITS 1序列探讨臂尾轮属轮虫的系统发生关系 (英文)

作者: 项贤领 席贻龙 胡好运
安徽师范大学生命科学学院

摘要:

本文通过对剪形臂尾轮虫、矩形臂尾轮虫、十指臂尾轮虫、红臂尾轮虫、角突臂尾轮虫、双棘臂尾轮虫、裂足臂尾轮虫和萼花臂尾轮虫等八种臂尾轮虫 rDNA ITS 1 序列分析, 并以西氏晶囊轮虫为外群, 使用PAUP和贝叶斯软件分别构建臂尾轮属轮虫系统发生树 (MP树、NJ树, ML树和贝叶斯树), 以探讨臂尾轮属的系统发生关系, 并解决其中的一些分类问题。结果表明: 本研究所涉及的轮虫 rDNA ITS 1 平均序列差异百分比较高, 为29%; 海水和淡水臂尾轮虫被明显分为不同的进化枝; 除双棘臂尾轮虫外, 在淡水臂尾轮虫中具有三对前棘刺且营附着生活的种类与前棘刺少于三对且营浮游生活的种类聚在不同支系中, 这与以形态特征为主所进行的系统发生研究结果基本一致; 所有的系统树均支持将十指臂尾轮虫作为一个独立的支系分离出来, 裂足臂尾轮虫应归入臂尾轮属 [动物学报52(6):1067 - 1074, 2006]。

关键词: 臂尾轮属 rDNA ITS 1 基因序列 系统发生

通讯作者: 席贻龙 (E-mail: ylxi1965@yahoo.com.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 726 次, 全文被下载 178 次。

[下载PDF文件 \(1350494 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部
地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所
邮 编: 100080
电 话: 010-82872092
传 真: 010-62569682
E-mail: kcxb@ioz.ac.cn
网 址: <http://www.insect.org.cn>