

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

## : 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期, undefined - undefined 页

题目: 褐飞虱不同致害性种群体内共生菌18S rDNA部分序列比较

作者: 张珏锋, 吕仲贤, 陈法军, 陈建明, 郑许松, 徐红星, 陈列忠, 俞晓平

摘要: 分离纯化了褐飞虱3种不同致害性种群体内类酵母共生菌 (yeast-like symbionts, YLS), 并对其18S rDNA基因序列进行了比较。结果表明, 褐飞虱3种不同致害性种群体内类酵母共生菌18S rDNA均扩增出600 bp左右的片段。依据获得的18S rDNA特异性序列, 结合已知真菌的18S rDNA部分序列, 构建了不同宿主的YLS分子系统树。结果显示, 褐飞虱3种不同致害性种群体内的YLS同属于囊菌亚门 (Ascomycotina) 的核菌纲 (Pyrenomycetes), 并与此纲中的 *Hypomyces chrysospermus* 亲缘关系相对最近。

关键词: 褐飞虱; 类酵母共生菌; 子囊菌亚门; 核菌纲; 致害性; 18S rDNA; 分子系统树

这篇文章摘要已经被浏览 177 次, 全文被下载 79 次。

[下载PDF文件 \(190329 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kcx@ioz.ac.cn](mailto:kcx@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>

《昆虫学报》版权所有© 2005