

## 新闻动态

- [图片新闻](#)
- [头条新闻](#)
- [综合新闻](#)
- [学术活动](#)
- [科研进展](#)
- [传媒扫描](#)
- [推荐视频](#)

## 科研进展

MORE >>

- [糖尿病肾病防治新发现\[08.01\]](#)
- [昆明植物所植物适应温度快速变化的机制研究取得新进展\[07.25\]](#)
- [漆树科北温带间断分布关键属的分子系统学和生物地理...\[07.21\]](#)
- [昆明植物所布依族民族植物学研究最新进展\[07.15\]](#)
- [兜兰属和杓兰属植物的叶片性状分异及生态适应意义研...\[07.05\]](#)
- [昆明植物所风仙花属 \(\*Impatiens\*\) 植物传统分类学研究...\[07.01\]](#)

## 联合共建

MORE >>

- [中科院青藏高原研究所昆明部](#)
- [山地生态系统研究中心](#)

您现在的位置: [首页](#) > [新闻动态](#) > [科研进展](#)

## 昆明植物所菊科绢毛苣属、肉菊属与合头菊属的系统学和生物地理学研究取得新进展

来源:生物多样性与生物地理学重点实验室 作者:张建文 2011-04-01 浏览次数:

近日,由中国科学院昆明植物研究所孙航研究员带领的课题组,在国家重点基础研究发展计划(973)(2007CB411601)和国家自然科学基金(30625004, 40930209, 31000101)等项目的资助下,对分布在青藏高原—喜马拉雅地区的绢毛苣属(*Sorosseris*)、肉菊属(*Stebbinsia*)与合头菊属(*Syncalathium*)植物进行了分子系统发育和生物地理学研究,其目的在于探究青藏高原地区植物的物种成因以及进化模式。

菊科绢毛苣属、肉菊属与合头菊属为主要分布于青藏高原高海拔地区的特有类群。本研究利用ITS, *trnL-F*和*psbA-trnH*对三属植物进行了分子系统学分析和生物地理学探讨,分析结果表明肉菊应该归并于绢毛苣属,而合头菊属分为两支:狭义合头菊属(*Syncalathium s.str.*)与康滇合头菊(*Syncalathium souliei*),前者位于还阳参亚族,而后者位于莴苣亚族并与广义莴苣属亲缘,所以康滇合头菊应该作为*Lactuca souliei*放回原广义莴苣属,具体分类学处理将另行发表(新属-假合头菊属*Parasyncalathium*);同时发现这些类群在此区域存在着三种进化模式,如绢毛苣属为一快速辐射进化而成的类群;狭义合头菊属为替代分布,进而发现其具有异域分化进程,本属可能是从青藏高原东北部的甘肃、青海和四川逐步向青藏高原腹地演化;而狭义合头菊属与康滇合头菊间由于同处于青藏高原恶劣的生态环境选择压力和气候变化,进而存在形态趋同进化模式。生物地理学研究发现广义绢毛苣属和原合头菊属均为年轻的分化类群,其大概起源和分化时间为1.56—8.44百万年前;从而结合地质学资料和现有系统学研究结果推断这些年轻类群应该是在青藏高原的隆升过程中随着环境的变化和流石滩生境的破碎化而形成。

该研究成果已在2011年出版的*Taxon*期刊上发表。

