



## 基于序列 *trnL-trnF* 和 ITS 的榉属系统发育与地理分布格局的初步分析

王璐<sup>1,2</sup>, 雷耘<sup>1\*</sup>, 张明理<sup>2,3\*</sup>

<sup>1</sup>华中师范大学生命科学学院, 武汉 430079;

<sup>2</sup>中国科学院干旱区生物地理与生物资源重点实验室, 中国科学院新疆生态与地理研究所, 乌鲁木齐 830011;

<sup>3</sup>中国科学院植物研究所, 北京 100093

A preliminary study of molecular phylogeny and biogeography distribution pattern of *Zelkova* inferred from *trnL-trnF* and nrITS sequences

WANG Lu<sup>1,2</sup>, LEI Yun<sup>1\*</sup>, and ZHANG Ming-Li<sup>2,3\*</sup>

<sup>1</sup>College of Life Science, Central China Normal University, Wuhan 430079, China;

<sup>2</sup>Key Laboratory of Biogeography and Bioresources in Arid Land, Xinjiang Institute of Ecology and Geography, Chinese Academy of Sciences, Ürümqi 830011, China;

<sup>3</sup>Institute of Botany, Chinese Academy of Sciences, Beijing 100093, China

[摘要](#)

[图/表](#)

[参考文献](#)

[相关文章](#)

[点击分布统计](#)

[下载分布统计](#)