

## 目次

### 花楸树天然群体的遗传多样性研究

郑健<sup>1,2</sup>, 郑勇奇<sup>1\*</sup>, 张川红<sup>1</sup>, 宗亦臣<sup>1</sup>, 李伯菁<sup>1</sup>, 吴超<sup>3</sup>

1 (中国林业科学研究院林业研究所, 北京 100091)

2 (中国林业科学研究院热带林业研究所, 广州 510520)

3 (天津市河东区绿化管理二所, 天津 300176)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 花楸树(*Sorbus pohuashanensis*)是我国北方一种观赏兼经济用途的树种。本研究采用水平淀粉凝胶同工酶电泳技术, 对采自山东、山西、河北、辽宁4个省的8个花楸树天然群体的种子样本进行了分析, 旨在了解花楸树天然群体的遗传多样性和遗传结构, 为该树种的保护与利用提供科学依据。4个酶系统10个位点的检测结果表明, 花楸树群体水平上的遗传多样性较高, 每位点平均等位基因数( $N_e$ )为2.2000, 多态位点百分率( $P$ )为100%, 期望杂合度( $H_e$ )为0.4240。花楸树8个群体间的有效等位基因数( $N_e$ )、 $H_e$ 和Shannon信息指数差异较小, 3个指标从高到低依次为: 河北驼梁山>河北雾灵山>山西庞泉沟>河北白石山>山东崂山>河北塞罕坝>山东泰山>辽宁老秃顶子。群体间遗传分化系数( $F_{st}$ )为0.0758, 群体间总的基因流较高( $N_m = 3.0472$ ), 群体间遗传一致度较高( $I$ 为0.8585–0.9872), 表明群体间遗传分化程度小。在单个群体中, 通过 $\chi^2$ 检验, 花楸树群体有73.62%的位点组合显著偏离Hardy-Weinberg平衡( $P < 0.05$ ), 总群体水平近交系数( $F_{it}$ )和单个群体水平近交系数( $F_{is}$ )分别为-0.3105和-0.4180, 表明无论在总体水平还是群体内个体间, 花楸树群体表现为杂合体过量的现象。UPGMA聚类结果显示, 8个群体的遗传距离与地理距离相关性不显著。

**关键词** [Sorbus pohuashanensis](#) [同工酶](#) [遗传多样性](#) [遗传结构](#) [遗传分化](#)

分类号

**DOI: 10.3724/SP.J.1003.2008.08201**

通讯作者:

[zhengyq@caf.ac.cn](mailto:zhengyq@caf.ac.cn)

作者个人主页: 郑健<sup>1,2</sup>; 郑勇奇<sup>1\*</sup>; 张川红<sup>1</sup>; 宗亦臣<sup>1</sup>; 李伯菁<sup>1</sup>; 吴超<sup>3</sup>

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (331KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (957KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“\*Sorbus pohuashanensis\*”的 相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [郑健](#)
- [郑勇奇](#)
- [张川红](#)
- [宗亦臣](#)
- [李伯菁](#)
- [吴超](#)