

研究论文

长筒石蒜种质资源的RAPD及ISSR研究

邓传良¹, 周 坚², 卢龙斗¹, 高武军¹, 李书粉¹, 王琼¹

1 河南师范大学生命科学学院; 2 南京林业大学森林资源与环境学院

收稿日期 2005-9-29 修回日期 网络版发布日期 接受日期 2006-2-16

摘要 借助RAPD及ISSR分子标记对长筒石蒜的种质资源进行了初步的研究, 结果表明: RAPD扩增得到的77个位点中, 53个位点具有多态性, 约占总数的68.8%; ISSR扩增得到的67个位点中, 其中62个位点具有多态性, 约占总数的92.5%。因此, 长筒石蒜遗传多样性是十分丰富的, 可以作为育种材料储备种质资源。从UPGMA聚类图来看, 依据花色区分的3种类型, 被聚在一起, 表明亲缘关系较近。因此, 在未来的长筒石蒜种质资源利用中, 不同花色的长筒石蒜可以作为品系进行开发。

关键词 [长筒石蒜](#), [种质资源](#), [随机扩增多态性DNA](#), [inter-简单重复序列](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

周坚

作者个人主页: [邓传良¹](#); [周 坚²](#); [卢龙斗¹](#); [高武军¹](#); [李书粉¹](#); [王琼¹](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (156KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“长筒石蒜, 种质资源, 随机扩增多态性DNA, inter-简单重复序列”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [邓传良](#)
- [周 坚](#)
- [卢龙斗](#)
- [高武军](#)
- [李书粉](#)
- [王琼](#)