

研究论文

云南丽江山慈菇遗传多样性的DALP分析

王海英, 虞泓, 李南高, 和锐, 张明宇

云南大学生命科学院生态遗传学实验室, 云南 昆明650091; 云南英茂生物技术实验室, 云南 昆明650106; 昆明制药集团股份有限公司, 云南 昆明650100

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 2005-5-18 10:57:00 接受日期

摘要 采用DALP(Direct amplification of length polymorphism)分子标记技术, 对产自云南的药用植物丽江山慈菇*Iphigenia indica* (L.) Kunth的9个居群进行DNA指纹检测。筛选出5个引物组合, 扩增共产生131条DNA片段, 其中104条谱带具有遗传多态性, 约占79.39%, 平均每组引物扩增所得多态条带为20.8, 9个居群平均多态百分率为42.21%。9个居群平均观察等位基因数 N_a 为1.4224, 总 N_a 为1.7939; 平均有效等位基因数 N_e 为1.3141, 总 N_e 为1.4810; 平均遗传多样性指数 H 为0.1745, 总 H 为0.2831; 平均Shannon多样性指数 I 为0.2527, 总 I 为0.4231; 总基因多样性 H_t 为0.2831, 居群内多样性 H_s 为0.1745, 居群间基因分化系数 G_{st} 为0.3834, 即丽江山慈菇有61.66%的遗传变异来自居群内, 38.34%来自居群间, 居群间存在较高水平的遗传分化。滇西北居群的遗传多样性明显高于滇中居群的遗传多样性, 这与滇中地区丽江山慈菇野生资源被大规模挖掘有着直接的关系。

关键词 [丽江山慈菇](#) [DALP](#) [遗传多样性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 王海英; 虞泓; 李南高; 和锐; 张明宇

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(222KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“丽江山慈菇”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [王海英](#)
 - [虞泓](#)
 - [李南高](#)
 - [和锐](#)
 - [张明宇](#)