

高等植物基因组结构¹⁾

沈建华

中国科学院上海生物化学研究所

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 高等植物基因组结构的研究是当前植物分子生物学研究的一个重要领域。1976年Walbot和Dure报道了棉花DNA复性动力学研究结果^[26], 同年Flavel1 和Smith发表了小麦方面的工作^[12] 迄今为止已报道的经DNA复性动力学方法系统研究过的高等植物还有: 烟草^[29], 豌豆^[22,]大豆^[1, 15], 蚕豆^[27]黑麦^[25]欧芹^[29], 绿豆^[23], 玉米^[16], 花生^[8], 粟^[28], 亚麻^[6]等。从已发表的情况来看, 高等植物基因组结构在主要方面都和已知的动物方面的情况相仿, 下面我们分几个方面逐项加以讨论。

关键词

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(0KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 无 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
- [沈建华](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者