

综述

## 利用功能基因组学方法研究SMAD去磷酸化—TGF-**b**超家族信号转导的终止机制

林侠<sup>1,3</sup>, 陈晔光<sup>4</sup>, 孟安明<sup>4</sup>, 冯新华<sup>1,2,3</sup>

1. Baylor College of Medicine 外科系, 美国;
2. Baylor College of Medicine 分子与细胞生物学系, 美国;
3. Baylor College of Medicine 癌症中心, 美国;
4. 清华大学生物科学与技术系, 生物膜与膜生物工程国家重点实验室, 北京 100084

收稿日期 2006-9-25 修回日期 2006-11-6 网络版发布日期 2007-1-9 接受日期

摘要

在后生动物机体中, 转化生长因子-**b** (TGF-**b**) 及相关生长因子可以通过自分泌、旁分泌及内分泌方式影响广泛的生理活动。它们在多种疾病的发病过程中起着重要的作用, 尤其是癌症、纤维化疾病、自免疫疾病和心血管系统疾病。TGF-**b**受体介导的R-SMADs的磷酸化是TGF-**b**信号转导通路中最重要的步骤, 引起从细胞质内SMAD复合体的组装到核内转录调控这样一个细胞内的信号转导。因此, R-SMADs的去磷酸化是TGF-**b**信号转导终止的一个重要的机制。最近, 我们实验室结合功能基因组学、生物化学和发育生物学的方法, 鉴定并研究了磷酸酶PPM1在TGF-**b**信号转导调控中的功能。文章简短地总结了SMADs动态的磷酸化和去磷酸化是如何调控信号转导的强度和持久性以及TGF-**b**信号转导的生理功能。

关键词 [转化生长因子\(TGF-b\); SMADs; 去磷酸化](#)

分类号

## Termination of TGF-beta Superfamily Signaling Through SMAD Dephosphorylation—A Functional Genomic View

Xia Lin<sup>1,3</sup>, Yeguang Chen<sup>4</sup>, Anming Meng<sup>4</sup>, Xinhua Feng<sup>1,2,3</sup>

1. Michael E. DeBakey Department of Surgery, Baylor College of Medicine, Houston TX 77030, USA;
2. Department of Molecular & Cellular Biology, Baylor College of Medicine, Houston TX 77030, USA;
3. Dan L. Duncan Cancer Center, Baylor College of Medicine, Houston TX 77030, USA;
4. State Key Laboratory of Biomembrane and Membrane Biotechnology, Department of Biological Sciences and Biotechnology, Tsinghua University, Beijing 100084, China

**Abstract**

The transforming growth factor-**b** (TGF-**b**) and related growth factors activate a broad range of cellular responses in metazoan organisms via autocrine, paracrine, and endocrine modes. They play key roles in the pathogenesis of many diseases especially cancer, fibrotic diseases, autoimmune diseases and cardiovascular diseases. TGF-**b** receptor-mediated phosphorylation of R-SMADs represents the most critical step in the TGF-**b** signaling pathways that triggers a cascade of intracellular events from SMAD complex assembly in the cytoplasm to transcriptional control in the nucleus. Conversely, dephosphorylation of R-SMADs is a key mechanism for terminating TGF-**b** signaling. Our labs have recently taken an integrated approach combining functional genomics, biochemistry and development biology to describe the isolation and functional characterization of protein phosphatase PPM1A in controlling TGF-**b** signaling. This article briefly reviews how dynamic phosphorylation and dephosphorylation of SMADs control or fine-tune the signaling strength and duration and ultimately the physiological consequences in TGF-**b** signaling.

扩展功能

本文信息

► [Supporting info](#)

► [PDF\(275KB\)](#)

► [\[HTML全文\]\(346KB\)](#)

► [参考文献](#)

服务与反馈

► [把本文推荐给朋友](#)

► [加入我的书架](#)

► [加入引用管理器](#)

► [复制索引](#)

► [Email Alert](#)

► [文章反馈](#)

► [浏览反馈信息](#)

相关信息

► [本刊中包含“转化生长因子\(TGF-b\); SMADs; 去磷酸化”的相关文章](#)

► 本文作者相关文章

· [林侠](#)

· [陈晔光](#)

· [孟安明](#)

· [冯新华](#)

Key words [transforming growth factor-b \(TGF-b\); SMADs; dephosphorylation](#)

---

通讯作者 冯新华 [xfeng@bcm.edu](mailto:xfeng@bcm.edu)