

# 山羊草属异源多倍体植物基因组进化的RAPD分析

蔡从利, 王建波, 景润春, 朱英国

武汉大学生命科学院; 武汉 430072

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 用24个随机引物对山羊草属 (*Aegilops*L.) 异源多倍体物种及其祖先二倍体物种进行RAPD分析。对扩增出的313条带进行聚类分析发现, 含D基因组的多倍体与二倍体祖先*Ae. squarrosa* (DD) 在聚类图上聚为一支; 除*Ae. juvenalis* (DDMMUU) 聚到上一支外, 含U基因组的多倍体与二倍体祖先*Ae. umbellulata* (UU) 在聚类图上聚为另一支; 多倍体与其他二倍体均不聚在一起, 表明多倍体分别与*Ae. squarrosa* (DD)、*Ae. umbellulata* (UU) 具有较近的亲缘关系。这说明多倍体形成之后, D和U基因组变化较小, 而其他基因组则发生了较大的变化。

**关键词** [山羊草属](#) [异源多倍体](#) [基因组进化](#) [RAPD](#)

分类号

**Abstract**

**Key words**

DOI:

通讯作者

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(315KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“山羊草属”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [蔡从利](#)
- [王建波](#)
- [景润春](#)
- [朱英国](#)