

## 大别山山核桃种群遗传多样性研究

王正加<sup>1,2</sup>, 黄有军<sup>2</sup>, 郭传友<sup>3</sup>, 黄坚钦<sup>2\*</sup>, 王华芳<sup>1</sup>

(1 北京林业大学生物科学与技术学院, 北京 100083); (2 浙江林学院现代森林培育省级重点实验室, 浙江临安 311300); (3 淮北煤碳师范学院生物系, 安徽淮北 235000)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

### 摘要

为了更有效地保护和合理开发大别山山核桃(*Carya dabieshanensis*)资源, 该文利用RAPD分子标记技术, 对3个天然大别山山核桃种群的90个单株的遗传多样性、种群内和种群间的遗传变异进行了研究, 结果表明: 20对10 bp随机引物共检测到238条谱带, 其中多态带为162条, 占68.1%。遗传多样性分析结果显示: Shannon多样性指数为0.476 1, 58.18%的变异分布于群体内, 而种群间变异占了41.82%; Nei指数群体总基因多样性为0.314 5, 群体内平均基因多样性(HS)为0.186 5, 群体间的基因多样性(HST)为0.128 0, 群体Nei基因分化系数(GST)为0.406 7, 说明40.67%的变异存在于种群间, 群体内的变异占了总变异的59.33%, 与Shannon多样性指数相比基本一致, 均表明种群内有较丰富的遗传变异, 这为优良品种选育提供广阔前景; 种群间的基因流(Nm)为0.730 6, 证明种群间遗传交换较小, 这与环境适应性和高山阻隔有一定的关系。

关键词 [山核桃](#) [种群](#) [RAPD分析](#) [遗传多样性](#)

分类号

DOI:

对应的英文版文章: [S0578](#)

通讯作者:

黄坚钦 [huangjq@zjfc.edu.cn](mailto:huangjq@zjfc.edu.cn)

作者个人主页: 王正加<sup>1,2</sup>; 黄有军<sup>2</sup>; 郭传友<sup>3</sup>; 黄坚钦<sup>2\*</sup>; 王华芳<sup>1</sup>

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (206KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“山核桃”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王正加](#)

· [黄有军](#)

· [郭传友](#)

· [黄坚钦](#)

· [王华芳](#)