

研究论文

回归分析在辣椒品种RAPD反应体系优化中的应用

张子学, 侯喜林

南京农业大学作物遗传与种质创新国家重点实验室, 江苏 南京210095; 安徽科技学院, 安徽 凤阳233100

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 2005-10-9 13:54:00 接受日期

摘要 以辣椒(*Capsicum annuum* L.)为材料,采用回归分析的方法对RAPD体系进行优化研究。结果表明在体积为20 μ l反应体系中, 主要因子的优化组合是: Mg²⁺、dNTP、Taq酶、引物、模板DNA等的浓度分别为3 mmol/L、0.3 mmol/L、1.3 U、0.4 μ mol/L和64 ng; 热循环程序为: 94 $^{\circ}$ C预变性2 min, 94 $^{\circ}$ C变性30 s, 40 $^{\circ}$ C退火1 min, 72 $^{\circ}$ C延伸90 s, 47个循环, 最后72 $^{\circ}$ C延伸10 min。通过对24个辣椒品种进行遗传多样性分析, 证明该优化体系是稳定可靠的。

关键词 [辣椒](#) [RAPD体系](#) [回归分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 张子学; 侯喜林

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (232KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“辣椒”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [张子学](#)
 - [侯喜林](#)