



发布者：梁英 点击数：738 发布时间：2018-03-16

基本信息

姓名 刘世强
性别 男
导师类别 硕士生导师
职称 副教授
学位 博士



个人简历

1997.9—2001.6 华南热带农业大学工学院 食品科学与工程专业 学士
2002.9—2005.6 华南热带农业大学农学院 作物遗传育种专业 硕士
2005.9—2008.6 南京农业大学生命科学学院 生物化学与分子生物学专业 博士
2006.1—2008.6 在农业部“蔬菜遗传与生理研究重点开放实验室”进行科学研究
2008.7—至今 江西农业大学理学院 生物化学与分子生物学 教师

联系方式

E-mail: lsq_hn306@163.com

社会职务

国家自然科学基金项目网评专家

教学工作

主讲研究生《生物信息学》；本科《基础生物化学》、《普通生物化学》等课程

研究方向

主要从事植物分子生物学、逆境胁迫调控和种质资源的创制等方面的研究

课题项目

- [1]主持 江西省自然科学基金重点项目：黄瓜耐盐关键基因的挖掘及功能分析(2017—2020)，经费20万
- [2]主持 国家自然科学基金：黄瓜CsLOX1基因调控花器官发育的分子机制研究(2017—2020)，经费38万
- [3]主持 国家自然科学基金：黄瓜AG-like基因CsMADS24在花器官发育中的功能分析(2015—2018)，经费50万
- [4]主持 国家自然科学基金：黄瓜脂氧合酶基因CsLOX1参与性别分化的研究(2011—2013)，经费26万
- [5]主持 江西省自然科学基金：黄瓜脂氧化酶基因参与性别分化的研究(2010—2014)，经费1万
- [6]主持 江西省教育厅科学基金：黄瓜EST-SSR新标记的开发及染色体定位(2010—2014)，经费1万
- [7]主持 江西农业大学自由基金：茉莉酸参与黄瓜性别分化的研究(2010—2013)，经费2万
- [8]参加国家自然科学基金：黄瓜性别决定M基因的克隆和表达分析(2009—2011)，经费38万

论文著作

- [1]通讯作者 Genome-wide identification and phylogenetic analysis of the chalcone synthase gene family in rice. J Plant Res, 2016 130: 95-105
- [2]通讯作者 The catalase gene family in cucumber: genome-wide identification and organization. Genetics and Molecular Biology, 2016 39: 408-415
- [3]第一作者 Genome-wide analysis of the auxin response factor gene family in cucumber. Genetics and Molecular Research, 2013 12: 4317-4331
- [4]通讯作者 Genome-wide analysis of the MADS-box gene family in cucumber. Genome, 2012 55: 245-256
- [5]通讯作者 Genome-wide identification and phylogenetic analysis of the ERF gene family in cucumbers. Genetics and Molecular Biology, 2011 34: 624-633
- [6]第一作者 Genome-wide identification, phylogenetic, and expression analysis of lipoxygenase gene family in cucumber. Genetics and Molecular Research, 2011 10: 2613-2636
- [7]第一作者(共同第一) Molecular isolation of the M gene suggests that a conserved-residue conversion induces the formation of bisexual flowers in cucumber plants. Genetics, 2009 182: 1381-1385
- [8]第一作者 Genetic association of THYLENE-INSENSITIVE3-like sequence with the sex-determining M locus in cucumber (Cucumis sativus L.). Theoretical and Applied Genetics, 2008 17: 927-933
- [9]第四作者 Transcriptome sequencing and comparative analysis of cucumber flowers with different sex types. BMC Genomics, 2010 11: 384

代表专利

- [1]国家发明专利：具有黄瓜CsMADS07基因的表达载体及其应用(第一)，CN105463012A, 2016
- [2]国家发明专利：具有黄瓜CsMADS09基因的表达载体及其应用(第一)，CN105505985A, 2016
- [3]国家发明专利：黄瓜CsLOX1 基因花特异表达载体及其应用(第二)，CN104450749A, 2015
- [4]国家发明专利：黄瓜CsMADS1 基因过表达载体及其应用(第二)，CN104450735A, 2015
- [5]国家发明专利：黄瓜CsMADS03 基因过表达载体及其应用(第二)，CN104450734A, 2015
- [6]国家发明专利：黄瓜CsMADS23 基因过表达载体及其应用(第二)，CN104480116A, 2015
- [7]国家发明专利：黄瓜AG-like 基因CsMADS24 基因过表达载体及其应用(第二)，CN104450736A, 2015
- [8]国家发明专利：一种改变植物花型的双35S过表达载体及其应用(第三)，ZL201410024489.6, 2015
- [9]国家发明专利：水稻金属硫蛋白基因OsMT-1-2a的原核表达载体及其应用(第三)，ZL201410002981.3, 2015
- [10]国家发明专利：一种沉默水稻过氧化氢酶基因OSCAT1 的sgRNA(第三)，CN105296487A, 2016
- [11]国家发明专利：一种沉默水稻过氧化氢酶基因OSCAT2 的sgRNA(第三)，CN105255885A, 2016
- [12]国家发明专利：一种沉默水稻过氧化氢酶基因OsCAT3 的sgRNA(第三)，CN105255898A, 2016
- [13]国家发明专利：水稻呼吸爆发氧化酶基因OsRboh(LOC_Os01g25820)的载体及其应用(第三)，CN105505984A, 2016
- [14]国家发明专利：一种抑制水稻OsRboh(LOC_Os01g25820)基因的amiRNA(第三)，CN105462983A, 2016
- [15]国家发明专利：黄瓜EST-SSR标记及应用(第三)，ZL201410052097.0, 2015

奖励情况

- [1]2010年，被评为“先进工作者”
- [2]2011年被聘为江西农业大学“未来之星”岗位人才