

[首 页](#) [概 况](#) [科 学 研 究](#) [学 术 队 伍](#) [研 究 生 教 育](#) [党 务 工 作](#) [仪 器 设 备](#) [人 才 招 聘](#) [下 载 中 心](#) [神 经 科 学 系](#) [协 同 创 新 中 心](#) [优 势 学 科](#) 输入关键字

2018年09月04日 星期二 万柏林 12~28℃

当前位置： [首 页](#) > [学 术 队 伍](#)

季煜华

发布者：神经再生重点实验室 发布时间：2015-11-17 浏览次数：1213



季煜华，博士，研究员。2012年度省高校“青蓝工程”中青年学术带头人，江苏省第四期“333高层次人才培养工程”第3层次培养对象。目前主要从事固有免疫应答在脑缺血损伤及损伤后修复中作用和机制的系统生物学研究。主持国家自然科学基金面上等项目多项。

代表 性 论 文（第一及通迅作者）

- 1、Yuhua Ji,Jinsheng Zhang, Wenwen Wang, Juling Ji, Functional study of miR-27a in humanhepatocysteal cells by proteomic analysis: comprehensive view and a role inmyogenic trans-differentiation. PLoS One, 2014. 9(9): p. e108351.
- 2、Zhuo C, JiY, Chen Z, Kitazato K, Xiang Y, Zhong M, Wang Q, Pei Y, Ju H, Wang Y. Proteomics analysis of autophagy-deficient Atg7-/- MEFs reveals a closerelationship between F-actin and autophagy. Bi ochem Biophys Res Commun. 2013Aug 2;437(3):482-8.
- 3、Sun F, YangQ, Weng W, Zhang Y, Yu Y, Hong A, Ji Y, Pan Q. Chd4 and associated proteinsfunction as corepressors of Sox9 expression during BMP-2-inducedchondrogenesis. J Bone Miner Res. 2013 Sep;28(9):1950-61.
- 4、Yuhua Ji, MiShen, Xin Wang, Shuqiang Zhang, Shu Yu, Gang Chen, Xiaosong Gu, and Fei Ding. Comparative Proteomic Analysis of Primary Schwann Cells and a SpontaneouslyImmortalized Schwann Cell Line RSC 96: A Comprehensive Overview with a Focus onCell Adhesion and Migration Related Proteins. J Proteome Research, DOI:10.1021/pr201221u, April 23, 2012
- 5、Mi Shen,Yuhua Ji, Shuqiang Zhang, Haiyan Shi, Gang Chen, Xiaosong Gu and Fei Ding. A proteome map of primary cultured rat Schwann cells. Proteome science.
- 6、Ji, J., Yu,F., Ji, Q., Li, Z., Wang, K., Zhang, J., Lu, J., Chen, L., Qun, E., Zeng, Y.,and Ji, Y. (2012) Comparative proteomic analysis of rat hepatic stellate cellsactivation: A comprehensive view and suppressed immune response. Hepatology.doi: 10.1002/hep.25650.

7、Ouyang DY, Ji YH, Saltis M, Xu LH, Zhang YT, Zha QB, Cai JY, He XH. (2011) Valproic acid synergistically enhances the cytotoxicity of gossypol in DU145 prostate cancer cells: an iTRAQ-based quantitative proteomic analysis. *J Proteomics.* 10, 2180-93.

8、Ji, Y.H., Ji, J.L., Sun, F.Y., Zeng, Y.Y., He, X.H., Zhao, J.X., Yu, Y., Yu, S.H., and Wu, W. (2010) Quantitative Proteomics Analysis of Chondrogenic Differentiation of C3H10T1/2 Mesenchymal Stem Cells by iTRAQ Labeling Coupled with On-line Two-dimensional LC/MS/MS. *Mol. Cell Proteomics.* 9, 550-564

[打印本页](#)[关闭窗口](#)[首页](#) | [管理员登录](#) | [联系我们](#) | [English](#)

地址(Add): 江苏省南通市启秀路19# 邮编: 226001

电话(TEL): 0086-513-85051800 传真(FAX): 0086-513-85511585