

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 分子进化研究中系统发生树的重建

作者: 常青 周开亚

南京师范大学生物多样性与分子进化研究室, 南京

摘要: 在现代分子进化研究中, 根据现有生物基因或物种多样性来重建生物的进化史是一个非常重要的问题。一个可靠的系统发生的推断, 将揭示出有关生物进化过程的顺序, 有助于我们了解生物进化的历史和进化机制。本文简要介绍了系统发生树推断的几个重要问题: 建树方法、数据转换、树的可靠性及目前使用较多的几种分析软件。

关键词: 分子进化, 系统发生树, DNA标记, DNA序列

这篇文章摘要已经被浏览 995 次, 全文被下载 3384 次。

[下载PDF文件 \(106037 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kcx@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>