



创新教育模式 培养一流人才



会议室预约

平台设备预约



师资队伍

TEACHING STAFF

杰出人才

教职员工

优秀青年学者

COLLEGE OF LIFE SCIENCES, SICHUAN UNIVERSITY

当前位置: 首页 > 师资队伍 > 杰出人才

王婧

发布时间: 2019年05月30日 浏览量: 47592



王婧, 博士, 教授

实验室主页: <https://lingwanslab.org/>

联系方式: wangjing2019@scu.edu.cn, lingwans368@126.com

办公室电话: +86-028-85469207

地址: 四川大学生命科学学院B710, B706

本课题组长期诚招硕士研究生、博士生、博士后, 欢迎感兴趣的同学老师联系! 同时, 也欢迎各学科背景本科生利用课余时间从事科研项目、完成毕业论文。

工作及学习经历:

- 2020-至今 四川大学生命科学学院, 教授
- 2019-2020 四川大学生命科学学院, 特聘研究员
- 2016-2019 挪威生命科学大学, 进化遗传学, 博士后
- 2012-2016 瑞典于默奥大学, 群体基因组学, 博士
- 2009-2012 兰州大学, 分子生态学, 硕士
- 2005-2009 兰州大学, 生态学, 本科

主要研究方向:

本实验室主要利用生物信息学分析方法对多组学数据(基因组、转录组、三维基因组、甲基化组、代谢组等)进行整合研究, 通过与分子生物学实验技术结合, 最终致力于解析植物适应性演化的分子遗传机制。主要包括以下几个方面的研究工作(详见实验室网页):

- 1) 演化基因组学
- 2) 物种形成的群体遗传学
- 3) 适应性演化的分子遗传机制

代表性荣誉:

- 2022年荣获四川大学重大基础研究成果奖(二类)
- 2020年入选四川省特聘专家
- 2020年荣获四川大学优秀科技人才奖
- 2017年荣获瑞典研究理事会基金(315万瑞典克朗)
- 2013年荣获瑞典Kempes Minnes奖学金(2万瑞典克朗)
- 2008年获教育部国家奖学金

主要学术兼职:

- 四川省女科技工作者协会理事
- 《Plant Diversity》编委
- 《Journal of Genetics and Genomics》青年编委
- 《Forestry Research》青年编委
- 《四川大学学报(自然科学版)》青年编委

科研项目:

- 国家重点研发计划青年科学家项目, 2022-2027, 主持
- 国家自然科学基金面上项目, 2019-2023, 主持
- 国家自然科学基金青年项目, 2020-2023, 主持

代表性论文(10篇)

(*Correspondence authors, #co-first authors)

1. Sang Y[#], Long Z[#], Dan X, Feng J, Shi T, Jia C, Zhang X, Lai Q, Yang G, Zhang H, Xu X, Liu H, Jiang Y, Ingvarsson PK, Liu J, Mao K, Wang J* (2022). Genomic insights into local adaptation and future climate-induced vulnerability of a keystone forest tree in East Asia. *Nature Communications*. 13: 6541. (IF_{5-year}=17.76)
2. Liu S, Zhang L, Sang Y, Lai Q, Zhang X, Jia C, Long Z, Wu J, Ma T, Mao K, Street K, Ingvarsson PK, Liu J, Wang J* (2022). Demographic history and natural selection shape patterns of deleterious mutation load and barriers to introgression across *Populus* genome. *Molecular Biology and Evolution*. 39(2): msac008. (IF_{5-year}=20.07)
3. Wang J*, Street NR, Park EJ, Liu JQ, Ingvarsson K (2020). Evidence for widespread selection in shaping the genomic landscape during speciation of *Populus*. *Molecular Ecology*. 29(6): 1120-1136. (IF_{5-year}=6.89)
4. Wang J*, Ding J, Tan B, Robinson KM, Michelson IH, Johansson A, Nystedt B, Scofield DG, Nilsson O, Jansson S, Street NR, Ingvarsson PK* (2018). A major locus controls local adaptation and adaptive life history variation in a perennial plant. *Genome Biology*. 19: 72 (IF_{5-year}=20.36)
5. Lin YC[#], Wang J[#], Delhomme N[#], Schiffhailer B, Sundström G, Zuccolo A, Nystedt B, Hvidsten TR, de la Torre A, Cossu R, Hoppner M, Lantz H, Scofield DG, Zamani N, Johansson A, Mannapperuma C, Robinson KM, Mähler N, Leitch I, Pellicer J, Park EJ, Montagu MV, Van der Peer V, Grabherr M, Jansson S, Ingvarsson K, Street NR*. Functional and evolutionary genomic inferences in *Populus* through genome and population sequencing of American and European aspen (2018). *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.* 115 (46): E10970-E10978. (IF_{5-year}=13.45)
6. Wang J, Street NR, Scofield D, Ingvarsson PK* (2016). Variation in linked selection and recombination drive genomic divergence during allopatric speciation of European and American aspens. *Molecular Biology and Evolution*. 33:1754-1767. (IF_{5-year}=20.07)
7. Wang J, Street NR, Scofield D, Ingvarsson PK* (2016). Natural selection and recombination rate variation shape nucleotide polymorphism across the genomes of three related *Populus* species. *Genetics*. 202: 1185-1200. (IF_{5-year}=4.79)
8. Wang J, Scofield D, Street NR, Ingvarsson PK* (2015). Variant calling using NGS data in European aspen (*Populus tremula*). Book chapter for "Advances in the Understanding of Biological Sciences using Next Generation Sequencing (NGS) Approaches". Ed. by Sablok, G., Kumar, S., Ueno, S., Kuo, J., Varotto, C. Springer, IBSN: 978-3-319-17156-2. Pp 43-61.
9. Wang J, Abbott RJ, Ingvarsson PK, Liu JQ (2014). Increased genetic divergence between two closely related fir species in areas of range overlap. *Ecology and Evolution* 4: 1019-1029. (IF_{5-year}=3.45)
10. Wang J, Abbott RJ, Peng YL, Du FK, Liu JQ (2011). Species delimitation and biogeography of two fir species (*Abies*) in central China: cytoplasmic DNA variation. *Heredity* 107: 362-370. (IF_{5-year}=4.41)

上一页: 刘明春

下一页: 李中瀚