

董艳

文章作者: 发布时间: 2017-12-08 浏览次数: 7646



个人简介

董艳，女，中共党员，理学博士，副教授，毕业于南京师范大学。主要研究方向为分子进化。

主要学习和工作经历

1. 2007年7月毕业于沈阳农业大学生物技术专业，获理学学士学位；
2. 2012年6月毕业于南京师范大学动物学专业，获理学博士学位；
3. 2012年7月至今，任教于滁州学院生物与食品工程学院。

获奖情况

第四届滁州学院青年教师课堂教学基本功竞赛三等奖、2017年课堂教学质量提升活动“优秀教案”奖、滁州学院先进科技工作者

讲授课程

基因工程、分子生物学、动物学、发育生物学、生物专业英语、文献检索与论文写作等

主要参研课题

1. 多足动物对土壤生境的适应进化及分子机制的研究，国家自然科学基金青年项目（项目批准号：31401971），主持；
2. 基于线粒体基因比较分析前殖孔类的进化，安徽省自然科学基金青年项目（项目批准号：1408085QC67），主持；
3. 安徽琅琊山多足动物调查研究，滁州学院校级项目启动资金（项目批准号：2012qd13），主持；
4. 大翅绢粉蝶分子系统地理学研究，教育厅自然科学基金重大项目（项目批准号：KJ2014ZD19），第一，参与；
5. 影响安徽琅琊山中华虎凤蝶种群数量的因素，教育厅自然科学基金（项目批准号：KJ2013Z245），第一，参与
6. 生物多样性示范观测（安徽大别山、黄山、八公山、琅琊山、天柱山观测样区），环保厅公益项目横向课题，（总额275.5万元），第二，参与
7. 安徽省高等学校省级质量工程项目：生物科学专业教师教学能力提升，（名师工作室，KJ2016SD44），参与
8. 国家自然科学基金面上项目：“节肢动物多足总纲系统发生的研究”（项目批准号：30470236），参与
9. 国家自然科学基金重点项目：“泛甲壳动物系统发生的研究”（项目批准号：30630010），参与
10. “十一五”国家科技支撑项目子课题“动物DNA条形码检测技术和动物多样性监测的指标与方法”，并参编“动物DNA条形码检测技术指南”（项目批准号：2008BAC39B01），参与
9. 高等学校博士学科点专项科研基金项目：“少足纲系统发生地位与少足动物分类研究”（项目批准号：20093207110005），参与
10. 新疆生物资源基因工程重点实验室开放课题：“新疆森林山地少足动物资源调查与分类鉴定”（项目批准号：XJDX0201-2009-01），参与

近年来发表论文目录

1. Dong Yan, Sun Hongying, Guo Hua, Pan Da, Qian Changyuan, Zhou Kaiya. 2012. The complete mitochondrial genome of *Pauropus longiramus* (Myriapoda: Pauropoda): Implications on early diversification of the myriapods revealed from comparative analysis. *Gene*. 505: 57-65.

2. Dong Yan, Xu Juanjuan, Hao Sijing, Sun Hongying. 2012. The complete mitochondrial genome of the giant pill millipede, *Sphaerotheriidae* sp. (Myriapoda: Diplopoda: Sphaerotheriida). *Mitochondrial DNA*. 23: 333 - 335.
3. Dong Yan, Zhu Lixin, Wu Yunfei, Wu Xiaobing. 2013. The complete mitochondrial genome of the Chinese peacock, *Papilio bianor* (Insecta: Lepidoptera: Papilionidae). *Mitochondrial DNA*. 24(6):636-638.
4. Dong Yan, Zhu Lixin, Wu Yunfei, Wu Xiaobing. 2013. The complete mitochondrial genome of the Alpine Black Swallowtail, *Papilio Maackii* (Insecta: Lepidoptera: Papilionidae) *Mitochondrial DNA*. 24(6):639-641.
5. Dong Yan, Zhu Lixin, Ding Mengjuan, Wang Jiajia, Luo Laigao, Liu Yang, Ou Yongyue. 2014. Complete mitochondrial genome of *Papilio syfanius* (Lepidoptera: Papilionidae). *Mitochondrial DNA*. (Early online, DOI:10.3109/19401736.2014.898278).
6. Dong Yan et al. 2016. Complete mitochondrial genomes of two flat-backed millipedes (Diplopoda: Polydesmida) by next-generation sequencing. *Zookeys*. 637: 1-20. doi: 10.3897/zookeys.637.9909
联系方式: Dongycz@126.com

终审人: 陈志宏