

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: AFLP和RAPD标记技术在栉孔扇贝遗传多样性研究中的应用比较

作者: 王玲玲, 宋林生, 李红蕾, 胥炜, 李俊强, 常亚青

中国科学院海洋研究所, 青岛, 266071; 中国科学院研究生院, 北京, 100039; 中国科学院海洋研究所, 青岛, 266071; 中国科学院海洋研究所, 青岛, 266071; 中国科学院海洋研究所, 青岛, 266071; 中国科学院海洋研究所, 青岛, 266071; 大连水产学院, 大连, 116023;

摘要: AFLP和RAPD标记技术是近年来发展最快的基于PCR基础上的两种DNA标记技术, 本文比较了两种标记技术在我国栉孔扇贝群体遗传多样性研究中的应用. 共筛选20个RAPD引物和7个AFLP引物组合, 检测到AFLP标记的有效等位基因数和平均多态信息量稍低于RAPD标记, 但AFLP标记在每单位分析中扩增到的野生和养殖群体的多态性条带数(23.8, 24.8)分别高于RAPD标记(5.6, 5.6), AFLP多态性检测效率显著高于RAPD标记. AFLP和RAPD两种标记技术所揭示的野生种群与养殖群体间的近交系数、遗传距离两项指标均表明, 我国栉孔扇贝养殖群体和野生种群之间尚未出现明显的遗传分化. 研究结果表明: RAPD和AFLP这两种标记技术均可用于栉孔扇贝遗传多样性的分析, 其分析结果是一致的.

关键词: 栉孔扇贝; AFLP; RAPD; 遗传多样性; 群体

这篇文章摘要已经被浏览 22 次, 全文被下载 9 次。

[下载PDF文件 \(273445 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>