

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期, undefined - undefined 页

题目: 中国境内不同地理型东方蜜蜂遗传多样性的AFLP分析

作者: 姜玉锁, 刘文忠, 张春香, 乔利英, 朱文进, 张桂贤, 郭传甲*
(山西农业大学动物科技学院, 山西太谷030801)

摘要: 利用22对AFLP引物组合对我国9个省市的11个东方蜜蜂种群和1个西方蜜蜂种群的39个个体基因组DNA的遗传变异进行了研究; 根据AFLP分析结果, 采用GeneScan3.0软件、群体遗传数据分析包(Hickory v1.0.4) 和群体遗传变异分析程序(AFLP-SURV 1.0), 分别计算了39个个体间的遗传相似系数和各蜜蜂种群的Nei's遗传距离、Reynolds遗传距离和成对的固定指数 F_{st} , 并构建了各自的UPGMA聚类关系图。结果表明: AFLP标记具有很高的多态检测效率, 适合于蜜蜂种群遗传多样性分析和品种鉴定。蜜蜂种间的遗传分化明显, 亲缘关系较远。中国境内不同地理型东方蜜蜂群体间存在着广泛的遗传变异。UPMGA聚类关系图显示, 海南东方蜜蜂由于长期的海岛隔离, 已经形成了一个独特的类群, 支持了通过形态学认定的海南东方蜜蜂为东方蜜蜂的一个新亚种。

关键词: 东方蜜蜂; 西方蜜蜂; 生态型; AFLP分析; 遗传多样性; 中国

通讯作者: 郭传甲 (E-mail: guochj695124@sohu.com).

这篇文章摘要已经被浏览 239 次, 全文被下载 91 次。

[下载PDF文件 \(950292 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部
地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所
邮 编: 100080
电 话: 010-82872092
传 真: 010-62569682
E-mail: kxcb@ioz.ac.cn
网 址: <http://www.insect.org.cn>