

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 大石鸡兰州亚种的种群遗传结构、单倍型分布和遗传多样性 (英文)

作者: 黄族豪 刘迺发 龙 进
井冈山学院生命科学院

摘要: 大石鸡 (*Alectoris magna*) 是中国西北部的特有种。我们测定了大石鸡兰州亚种 (*A. m. lanzhouensis*) 8个地理种群106个样本的线粒体DNA控制区5'端458 bp序列, 研究其种群遗传结构和遗传多样性。27个变异位点共确定25种单倍型, 其中单倍型M2广泛分布, 而许多单倍型为一些地方种群特有。单倍型分布沿着南北方向变化, 存在明显的地理结构。8个种群中核苷酸多样性最高的是定西种群, 0.0069, 最低的是海原种群, 0.0028; 单倍型多样性最高的是武山种群, 0.86, 最低的是北道种群, 0.52。北方种群比南方种群具有更高的遗传多样性。系统发生树和单倍型分布表明, 大石鸡兰州亚种存在两个明显的分支。溯祖理论、更新世冰期和花粉支持兰州亚种起源于兰州盆地, 这个盆地是其遗传多样性的中心[动物学报52(4):738 - 745, 2006]。

关键词: 大石鸡兰州亚种 遗传结构 单倍型分布 线粒体DNA控制区 遗传多样性

通讯作者: 刘迺发 (E-mail: liu-nf@sina.com).

这篇文章摘要已经被浏览 607 次, 全文被下载 297 次。

[下载PDF文件 \(948180 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>