

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,  
undefined - undefined 页

题目: 湖北野生春兰资源遗传多样性的ISSR分析

作者: 高丽<sup>1,2</sup> 杨波<sup>1\*</sup>

1 中国科学院武汉植物园, 武汉 430074

2 中国科学院研究生院, 北京 100049

摘要: 近年来, 由于过度采挖和生境片段化, 湖北野生春兰 (*Cymbidium goeringii*) 资源正面临着灭绝的危险。本文采用ISSR分子标记技术对湖北省内的11个春兰野生居群共325个个体的遗传多样性水平及居群遗传结构进行了研究。11个引物共检测到127个位点, 其中112个为多态位点, 占88.19%。POPGENE分析结果表明: 与其他兰科植物相比, 春兰具有丰富的遗传变异(在物种水平上,  $H_e=0.2628$ ,  $H_o=0.4037$ ; 在居群水平上,  $PPL=63.06\%$ ,  $H_e=0.1945$ ,  $H_o=0.2958$ )。Nei's遗传多样性分析和AMOVA分析表明, 各居群间产生了一定程度的遗传分化( $G_{ST}=0.2440$ ,  $F_{ST}=0.2207$ )。居群间一定程度的遗传分化可能是由生境破坏和基因流障碍( $N_m=0.8828$ )引起。UPGMA聚类分析可知, 与其他居群相比, 恩施地区的5个居群, 即巴东(BD)、福宝山(FBS)、宣恩(XE)、毛坝(MB)、来凤(LF)优先聚成一支, 而大悟(DW)居群单独聚为一支。同时本研究也表明, 虽然春兰自交亲和, 但在自然界中其繁育系统还是以异交为主。鉴于春兰资源的遗传多样性现状和其相应的居群遗传结构, 我们建议在遗传多样性较高的来凤(LF)、京山(JS)、大悟(DW)居群设立保护点进行就地保护; 而对资源破坏最为严重的毛坝(MB)和宣恩(XE)居群要实行迁地保护。

关键词: *Cymbidium goeringii*, 野生资源, 居群遗传结构, 保护

通讯作者: 杨波 (E-mail:[yangbo@wbgcas.cn](mailto:yangbo@wbgcas.cn)).

这篇文章摘要已经被浏览 456 次, 全文被下载 248 次。

[下载PDF文件 \(254706 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kxcb@ioz.ac.cn](mailto:kxcb@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>