

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 利用微卫星标记分析我国13个地方灰羽鹅品种的遗传多样性

作者: 屠云洁¹ 陈宽维^{1*} 汤青萍¹ 王金玉² 高玉时¹ 顾 荣¹ 葛庆联¹

1 中国农业科学院家禽研究所, 扬州 225003

2 (扬州大学动物科学与技术学院, 扬州 225001

摘要: 我国地方鹅品种具有很多优良性状, 但长期以来由于没有形成科学的选育制度和培育方法, 品种的遗传多样性没有得到完整保存。为了深入了解我国地方鹅品种的遗传结构, 使之得到更好的保护和利用, 作者选用31个多态性较高的微卫星标记(其中19个是首次用磁珠富集法从AFLP片段中分离), 检测了我国13个地方灰羽鹅 (*Anser cygnoides*) 品种的遗传多样性。利用等位基因频率计算出各群体的平均遗传杂合度(H)、多态信息含量(PIC)和群体间的遗传距离(D_A)。结果表明: 13个地方灰羽鹅品种中, 平均多态信息含量为0.323-0.398, 平均杂合度为0.4985-0.6727, 各品种的杂合度都较高, 最高的是狮头鹅(0.6727), 最低的是雁鹅(0.4985)。用UPGMA法进行聚类分析的结果显示, 13个品种被聚为4类: 丰城灰鹅、武冈铜鹅、兴国灰鹅、狮头鹅、乌棕鹅、阳江鹅、马冈鹅、钢鹅、雁鹅聚为第1类; 伊犁鹅自聚为第2类; 长乐鹅、右江鹅聚为第3类; 永康灰鹅自聚为第4类。本研究为鹅遗传育种提供了参考资料。

关键词: 微卫星标记, 鹅, 遗传多样性

通讯作者: 陈宽维 (E-mail: tyj3030@126.com).

这篇文章摘要已经被浏览 568 次, 全文被下载 337 次。

[下载PDF文件 \(232660 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>