

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: 8个栽培水杉居群遗传多样性的等位酶分析

作者: 李晓东** 杨佳** 史全芬 李建强*
中国科学院武汉植物园, 武汉 430074

摘要: 水杉(*Metasequoia glyptostroboides*)是我国特有的活化石植物, 有50多年的栽培历史。栽培水杉在多大程度上涵盖了野生水杉的遗传多样性, 是评价水杉保育策略成功与否的关键所在。为了评估水杉栽培居群的遗传变异水平, 作者采用超薄平板微型聚丙烯酰胺等电聚焦电泳方法对水杉的8个人工栽培居群的等位酶变异和遗传多样性进行了研究。对9个酶系统23个酶位点的检测结果表明: 有8个酶位点的等位基因频率分布差异非常显著, 在2个居群中存在稀有等位基因; 平均等位基因数 $A=1.375$, 多态位点百分率 $PPL=33.15$, 平均预期杂合度 $He=0.161$ 。与子遗居群相比, 栽培水杉的遗传变异水平偏低, 表明栽培居群的遗传多样性不能完全涵盖子遗居群。将采于潜江的9个丛枝水杉 (*Metasequoia glyptostroboides* var. *caespitosa*) 样品与分别采自潜江、武汉和上海的各9个水杉样品的等位酶资料进行了UPGMA单株聚类分析, 并将丛枝水杉作为一个居群与其他8个水杉居群作UPGMA聚类分析, 其结果不支持将丛枝水杉作为水杉的一个变种的分类处理。

关键词: *Metasequoia glyptostroboides*, *M. glyptostroboides* var. *caespitosa*,
遗传结构, 保护

通讯作者: 李建强 (E-mail: jianqiangl@hotmail.com).

这篇文章摘要已经被浏览 959 次, 全文被下载 504 次。

[下载PDF文件 \(616313 字节\)](#)

您是第: **248389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>