

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,  
undefined - undefined 页

题目: 极濒危植物中华水韭休宁居群的遗传结构

作者: 陈媛媛 叶其刚 李作洲 黄宏文\*  
中国科学院武汉植物园, 武汉 430074

摘要: 采用超薄平板微型聚丙烯酰胺等电聚焦电泳方法对极濒危蕨类植物中华水韭 (*Isoetes sinensis*) 现存于安徽休宁的5个亚居群的等位酶多样性和遗传结构进行了研究。结果表明: 中华水韭居群每位点平均等位基因数 $A=1.7$ , 平均多态位点比率 $P=55.56\%$ , 平均预期杂合度 $He=0.201$ 。居群中半数的多态位点表现为等位基因的“固定杂合”, 5个亚居群的遗传多样性无显著差异, 但都表现出严重偏离Hardy Weinberg平衡的杂合子过量; 其遗传变异主要发生于亚居群内 (94.27%), 亚居群之间的遗传分化较小 ( $Gst=0.0573$ ), 亚居群间遗传一致度较高 ( $I=0.960-0.999$ )。我们推断这可能是由于居群构建之初的奠基者效应或者原种群曾经历了较为严重的遗传瓶颈所导致; 此外亚居群间便利的基因交流也可能起到了很大作用 ( $Nm=4.5062$ )。取自休宁居群的75株样品由13个专一多位点基因型 (18个位点等位酶基因型) 组成, 亚居群及个体间高度遗传均质。本文还就中华水韭休宁野生居群濒危的遗传因素进行了探讨, 并提出了相应的保育策略。

关键词: *Isoetes sinensis*, 异源多倍体, 基因频率, 遗传多样性, 遗传均质化, 保育策略

通讯作者: 黄宏文 (E-mail: [hongwen@public.wh.hb.cn](mailto:hongwen@public.wh.hb.cn)).

这篇文章摘要已经被浏览 1103 次, 全文被下载 530 次。

[下载PDF文件 \(692498 字节\)](#)

您是第: **248389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部  
地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所  
邮 编: 100080  
电 话: 010-82872092  
传 真: 010-62569682  
E-mail: [kxcb@ioz.ac.cn](mailto:kxcb@ioz.ac.cn)  
网 址: <http://www.insect.org.cn>