

扩展功能

本文信息

- [Supporting info](#)
- [PDF\(736KB\)](#)
- [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

参考文献

服务与反馈

- [把本文推荐给朋友](#)
- [加入我的书架](#)
- [加入引用管理器](#)
- [复制索引](#)
- [Email Alert](#)
- [文章反馈](#)
- [浏览反馈信息](#)

相关信息

► [本刊中包含“杭州石茅竺”的相关文章](#)

► 本文作者相关文章

- [周世良](#)
- [张方](#)
- [王中仁](#)
- [洪德元](#)

杭州石茅竺和石香薷的遗传多样性研究

周世良, 张方, 王中仁, 洪德元

中国科学院植物研究所系统与进化植物学开放研究实验室;北京 100093

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 杭州石茅竺分布于华东沿海少数地区, 石香薷则分布于长江以南的广大地区。采用淀粉凝胶电泳方法, 分析了15个酶系统, 获得28个位点的资料。分析结果表明, 杭州石茅竺和石香薷均具较低的遗传多样性水平。杭州石茅竺常用的遗传多样性指标为A=1. 25, P=21. 43%, He=0. 082, Ht=0. 1014; 石香薷为A=1. 10, P=9. 52%, He=0. 021, Ht=0. 0450。在有限的遗传多样性中, 杭州石茅竺的遗传多样性主要存在于居群之内($Gst=0. 2219$), 石香薷的遗传多样性主要存在于居群之间($Gst=0. 5533$)。石香薷维持更低的遗传多样性是受该种繁育系统类型和进化历史的制约。分析了同工酶多样性和形态多样性的关系, 并根据杭州石茅竺的遗传多样性分布式样提出了杭州石茅竺遗传多样性保护的策略。

关键词 [杭州石茅竺](#) [石香薷](#) [遗传多样性](#) [同工酶分析](#)

分类号

Genetic Diversity of *Mosla hangchouensis* and *M. chinensis* (Labiatae)

ZHOU Shi-liang, ZHANG Fang, WANG Zhong-ren, HONG De-yuan

Laboratory of Systematic and Evolutionary Botany Institute of Botany Chinese Academy of Sciences
Beijing 100093

Abstract

Genetic diversity of *Mosla hangchouensis* Matsuda, a species endemic to eastern China and a closely related species *M. chinensis* Maxim, which is widely distributed throughout south part of China, was analysed by starch gel electrophoresis. Of seven populations of *M. hangchouensis* and three populations of *M. chinensis* examined, a low level of allozymic diversity was estimated based on 28 loci of 15 enzyme systems.

Key words [Mosla hangchouensis](#) [Mosla chinensis](#) [Genetic diversity](#)

DOI:

通讯作者